

Table S1. List of proteins identified in the protein corona (PC) of PS-NH2 formed in human serum (HS), human heparin plasma (HHP) and human citrate plasma (HCP) and analysis of the respective media by LC MS. Average amount of each protein in fmol was calculated from three biological and three technical replicates. Proteins are ordered alphabetically.

Accession	Protein name	Average amount [fmol] of total protein						Average percentage of total protein					
		PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP	PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP
P43652	Afamin	0,00	0,04	0,00	0,05	0,00	0,11	0,00%	0,01%	0,00%	0,01%	0,00%	0,02%
Q9H8T0	AKT-interacting protein	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,05	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
Q10469	Alpha-1,6-mannosyl-glycoprotein 2-beta-N-acetylglucosaminyltransferase	0,00	0,22	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,04%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P02763	Alpha-1-acid glycoprotein 1	0,00	3,38	0,00	2,09	0,00	2,11	0,00%	0,61%	0,00%	0,44%	0,00%	0,47%
P19652	Alpha-1-acid glycoprotein 2	0,00	1,21	0,00	0,93	0,00	0,91	0,00%	0,22%	0,00%	0,20%	0,00%	0,20%
P01011	Alpha-1-antichymotrypsin	0,00	0,94	0,00	0,75	0,00	0,78	0,00%	0,17%	0,00%	0,16%	0,00%	0,18%
P01009	Alpha-1-antitrypsin	0,71	6,51	0,17	6,20	0,06	5,03	0,30%	1,18%	0,07%	1,31%	0,02%	1,13%
P04217	Alpha-1B-glycoprotein	0,00	1,20	0,00	0,92	0,00	0,79	0,00%	0,22%	0,00%	0,19%	0,00%	0,18%
P08697	Alpha-2-antiplasmin	0,13	0,00	0,00	0,10	0,02	0,09	0,06%	0,00%	0,00%	0,02%	0,01%	0,02%
P02765	Alpha-2-HS-glycoprotein	0,00	1,81	0,00	1,73	0,00	1,70	0,00%	0,33%	0,00%	0,37%	0,00%	0,38%
P01023	Alpha-2-macroglobulin	0,00	4,64	0,00	3,77	0,00	3,44	0,00%	0,84%	0,00%	0,80%	0,00%	0,77%
Q9C0B1	Alpha-ketoglutarate-dependent dioxygenase FTO	0,00	0,00	0,00	0,00	0,17	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,06%	0,00%
P01019	Angiotensinogen	0,00	0,34	0,00	0,39	0,00	0,05	0,00%	0,06%	0,00%	0,08%	0,00%	0,01%
P01008	Antithrombin-III	0,56	0,29	0,00	0,42	0,00	0,40	0,23%	0,05%	0,00%	0,09%	0,00%	0,09%
P02647	Apolipoprotein A-I	4,98	1,44	1,27	1,14	0,28	1,03	2,09%	0,26%	0,54%	0,24%	0,09%	0,23%
P06727	Apolipoprotein A-IV	1,12	0,51	0,60	0,00	0,44	0,22	0,47%	0,09%	0,25%	0,00%	0,14%	0,05%
P04114	Apolipoprotein B-100	0,00	1,13	0,00	0,76	0,00	0,53	0,00%	0,20%	0,00%	0,16%	0,00%	0,12%
P02656	Apolipoprotein C-III	1,11	0,00	0,59	0,00	0,64	0,00	0,47%	0,00%	0,25%	0,00%	0,21%	0,00%
P02649	Apolipoprotein E	0,85	0,00	0,27	0,00	0,08	0,00	0,36%	0,00%	0,12%	0,00%	0,03%	0,00%
P02749	Beta-2-glycoprotein 1	0,04	1,22	0,47	1,00	0,02	0,96	0,02%	0,22%	0,20%	0,21%	0,01%	0,22%
Q96CX2	BTB/POZ domain-containing protein KCTD12	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	3,33	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,75%
Q68DU8	BTB/POZ domain-containing protein KCTD16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	4,37	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,98%
P04003	C4b-binding protein alpha chain	0,41	0,53	0,00	0,47	2,24	0,46	0,17%	0,10%	0,00%	0,10%	0,72%	0,10%
Q9NZT1	Calmodulin-like protein 5	0,00	0,16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,03%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q96IV4	Carboxypeptidase B2	0,21	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,09%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P19784	Casein kinase II subunit alpha'	0,00	0,00	0,00	0,71	0,00	1,27	0,00%	0,00%	0,00%	0,15%	0,00%	0,29%
Q43866	CD5 antigen-like	0,00	0,26	0,00	0,11	0,00	0,24	0,00%	0,05%	0,00%	0,02%	0,00%	0,05%
Q92674	Centromere protein I	0,00	0,00	0,00	0,00	0,12	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,04%	0,00%
P00450	Ceruloplasmin	0,00	1,26	0,00	0,95	0,00	0,82	0,00%	0,23%	0,00%	0,20%	0,00%	0,18%
Q05048	Cleavage stimulation factor subunit 1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
P10909	Clusterin	44,53	0,78	17,21	0,82	16,94	0,47	18,71%	0,14%	7,28%	0,17%	5,44%	0,11%
P00740	Coagulation factor IX	0,00	0,00	0,00	0,00	0,14	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,05%	0,00%
P08709	Coagulation factor VII	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%
A2IDD5	Coiled-coil domain-containing protein 78	0,00	0,59	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,11%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
O75534	Cold shock domain-containing protein E1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,02	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%
P02747	Complement C1q subcomponent subunit C	0,00	0,00	0,00	0,05	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
P00736	Complement C1r subcomponent	0,02	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P01024	Complement C3	2,13	2,74	1,50	2,39	0,15	2,46	0,90%	0,50%	0,63%	0,50%	0,05%	0,55%
P0C0L4	Complement C4-A	0,40	1,40	0,00	0,29	0,27	0,89	0,17%	0,25%	0,00%	0,06%	0,09%	0,20%
P0C0L5	Complement C4-B	0,00	0,00	0,00	0,37	0,05	0,50	0,00%	0,00%	0,00%	0,08%	0,02%	0,11%
P01031	Complement C5	0,03	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P13671	Complement component C6	0,03	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P10643	Complement component C7	0,05	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,02%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P07360	Complement component C8 gamma chain	0,01	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P02748	Complement component C9	0,55	0,00	0,02	0,00	0,00	0,00	0,23%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%
P00751	Complement factor B	0,21	0,70	0,00	0,53	0,00	0,46	0,09%	0,13%	0,00%	0,11%	0,00%	0,10%
P08603	Complement factor H	0,00	1,91	0,00	1,38	0,00	0,85	0,00%	0,35%	0,00%	0,29%	0,00%	0,19%
P08185	Corticosteroid-binding globulin	0,00	0,00	0,00	0,11	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%	0,00%
O43639	Cytoplasmic protein NCK2	0,00	0,00	0,00	0,11	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%	0,00%

Accession	Protein name	Average amount [fmol] of total protein						Average percentage of total protein					
		PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP	PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP
Q9UER7	Death domain-associated protein 6	0,00	0,00	0,00	0,00	0,03	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%
P55039	Developmentally-regulated GTP-binding protein 2	0,00	0,00	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
O94874	E3 UFM1-protein ligase 1	0,00	0,00	0,00	0,28	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,06%	0,00%	0,00%
P50402	Emerin	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,19	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,04%
P02671	Fibrinogen alpha chain	0,00	0,00	10,60	0,91	23,71	2,37	0,00%	0,00%	4,48%	0,19%	7,62%	0,53%
P02675	Fibrinogen beta chain	0,00	0,00	14,90	1,09	34,72	2,73	0,00%	0,00%	6,30%	0,23%	11,15%	0,61%
P02679	Fibrinogen gamma chain	0,02	0,00	25,46	2,12	61,46	5,24	0,01%	0,00%	10,77%	0,45%	19,74%	1,18%
P02751	Fibronectin	0,00	0,15	0,00	0,00	0,00	0,73	0,00%	0,03%	0,00%	0,00%	0,00%	0,16%
Q01167	Forkhead box protein K2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%
O95954	Formimidoyltransferase-cyclodeaminase	0,03	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%
E5RQL4	Formiminotransferase N-terminal subdomain-containing protein	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P78423	Fractalkine	0,00	0,00	0,50	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,21%	0,00%	0,00%	0,00%
Q9UKL4	Gap junction delta-2 protein	0,00	3,75	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,68%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P06396	Gelsolin	0,22	0,18	0,02	0,24	0,32	0,19	0,09%	0,03%	0,01%	0,05%	0,10%	0,04%
Q6PCE3	Glucose 1,6-bisphosphate synthase	0,37	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,16%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q04609	Glutamate carboxypeptidase 2	0,00	0,00	0,01	0,00	0,00	43,00	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%
P28161	Glutathione S-transferase Mu 2	0,00	3,92	0,00	4,50	0,00	0,00	0,00%	0,71%	0,00%	0,95%	0,00%	0,00%
P04406	Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase	0,07	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,03%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q8N9W4	Golgin subfamily A member 6-like protein 2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%
Q13588	GRB2-related adapter protein	0,00	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%
Q14344	Guanine nucleotide-binding protein subunit alpha-13	0,03	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P00738	Haptoglobin	0,00	6,75	0,00	4,86	0,00	8,63	0,00%	1,22%	0,00%	1,03%	0,00%	1,94%
P00739	Haptoglobin-related protein	0,00	0,54	0,00	0,58	0,00	0,62	0,00%	0,10%	0,00%	0,12%	0,00%	0,14%
P02790	Hemopexin	0,08	6,60	0,00	5,36	0,09	4,67	0,03%	1,20%	0,00%	1,13%	0,03%	1,05%
P05546	Heparin cofactor 2	0,02	0,04	0,00	0,05	0,00	0,04	0,01%	0,01%	0,00%	0,01%	0,00%	0,01%
P82970	High mobility group nucleosome-binding domain-containing protein 5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,03	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%
P04196	Histidine-rich glycoprotein	0,00	0,29	0,00	0,32	0,00	0,26	0,00%	0,05%	0,00%	0,07%	0,00%	0,06%
Q14520	Hyaluronan-binding protein 2	0,03	0,00	0,43	0,00	0,64	0,00	0,01%	0,00%	0,18%	0,00%	0,21%	0,00%
P01876	Ig alpha-1 chain C region	0,06	5,02	0,00	4,50	0,51	2,89	0,03%	0,91%	0,00%	0,95%	0,17%	0,65%
P01877	Ig alpha-2 chain C region	0,02	2,12	0,00	0,92	0,00	0,98	0,01%	0,38%	0,00%	0,19%	0,00%	0,22%
P01880	Ig delta chain C region	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00	0,09	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%
P01857	Ig gamma-1 chain C region	1,60	88,14	1,07	51,32	2,00	68,75	0,67%	15,97%	0,45%	10,85%	0,64%	15,45%
P01859	Ig gamma-2 chain C region	0,61	11,93	0,25	8,58	0,16	3,89	0,25%	2,16%	0,11%	1,81%	0,05%	0,87%
P01860	Ig gamma-3 chain C region	0,00	2,68	0,00	2,29	1,39	2,04	0,00%	0,49%	0,00%	0,48%	0,44%	0,46%
P01861	Ig gamma-4 chain C region	0,00	4,06	0,00	5,18	0,11	28,46	0,00%	0,74%	0,00%	1,10%	0,04%	6,39%
P01766;P01777	Ig heavy chain V-III region BRO	0,00	1,13	0,00	1,40	0,00	0,90	0,00%	0,20%	0,00%	0,30%	0,00%	0,20%
P01779;P01765	Ig heavy chain V-III region TUR	0,00	0,37	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00%	0,07%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
P01764	Ig heavy chain V-III region VH26	0,00	0,49	0,00	0,48	0,00	0,39	0,00%	0,09%	0,00%	0,10%	0,00%	0,09%
P01834	Ig kappa chain C region	1,33	35,59	1,14	34,66	3,45	43,48	0,56%	6,45%	0,48%	7,33%	1,11%	9,77%
P01593;P01594;P01599;P01609;P01610	Ig kappa chain V-I region AG	0,00	1,61	0,00	1,31	0,00	2,64	0,00%	0,29%	0,00%	0,28%	0,00%	0,59%
P01598;P01596	Ig kappa chain V-I region EU	0,00	0,00	0,00	0,15	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,03%	0,00%	0,00%
P01611	Ig kappa chain V-I region Wes	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
P01614	Ig kappa chain V-II region Cum	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,11	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%
P06310	Ig kappa chain V-II region RPMI 6410	0,00	0,00	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
P01617	Ig kappa chain V-II region TEW	0,00	1,57	0,00	1,22	0,00	0,59	0,00%	0,28%	0,00%	0,26%	0,00%	0,13%
P01621	Ig kappa chain V-III region NG9 (Fragment)	0,00	0,11	0,00	0,00	0,00	0,24	0,00%	0,02%	0,00%	0,00%	0,00%	0,05%
P01620;P01622;P01623;P04206	Ig kappa chain V-III region SIE	0,03	1,69	0,00	1,60	0,12	2,38	0,01%	0,31%	0,00%	0,34%	0,04%	0,54%
P04433	Ig kappa chain V-III region VG (Fragment)	0,00	0,34	0,00	0,28	0,00	0,15	0,00%	0,06%	0,00%	0,06%	0,00%	0,03%
P01625;P06312;P06313;P06314	Ig kappa chain V-IV region Len	0,00	0,82	0,00	0,69	0,00	0,71	0,00%	0,15%	0,00%	0,15%	0,00%	0,16%
P01871	Ig mu chain C region	1,01	3,68	0,97	2,04	1,40	2,74	0,42%	0,67%	0,41%	0,43%	0,45%	0,61%
P04220	Ig mu heavy chain disease protein	0,00	0,00	0,00	0,27	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,06%	0,00%	0,00%
P01591	Immunoglobulin J chain	0,00	0,05	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
B9A064;P0CG04	Immunoglobulin lambda-like polypeptide 5	0,00	5,41	0,00	4,12	0,00	2,08	0,00%	0,98%	0,00%	0,87%	0,00%	0,47%

Accession	Protein name	Average amount [fmol] of total protein						Average percentage of total protein					
		PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP	PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP
P35858	Insulin-like growth factor-binding protein complex acid labile subunit	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
P19827	Inter-alpha-trypsin inhibitor heavy chain H1	0,00	3,27	0,00	0,52	0,00	0,35	0,00%	0,59%	0,00%	0,11%	0,00%	0,08%
P19823	Inter-alpha-trypsin inhibitor heavy chain H2	0,02	0,92	0,00	0,80	0,00	0,60	0,01%	0,17%	0,00%	0,17%	0,00%	0,14%
Q14624	Inter-alpha-trypsin inhibitor heavy chain H4	1,46	0,90	0,33	0,48	0,00	0,64	0,61%	0,16%	0,14%	0,10%	0,00%	0,14%
P13232	Interleukin-7	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
B1AKI9	Isthmin-1	0,00	0,00	0,00	0,05	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
Q9NXS3	Kelch-like protein 28	0,00	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%
Q15323	Keratin, type I cuticular Ha1	0,07	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,03%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P13645	Keratin, type I cytoskeletal 10	0,00	0,00	0,00	0,00	0,02	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P35527	Keratin, type I cytoskeletal 9	0,00	0,00	0,06	0,00	0,02	0,00	0,00%	0,00%	0,03%	0,00%	0,01%	0,00%
P04264	Keratin, type II cytoskeletal 1	0,00	0,00	0,12	0,00	0,36	0,00	0,00%	0,00%	0,05%	0,00%	0,12%	0,00%
P01042	Kininogen-1	1,86	1,05	0,18	0,87	0,02	0,64	0,78%	0,19%	0,08%	0,18%	0,01%	0,14%
Q9NS61	Kv channel-interacting protein 2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,08	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%
P18428	Lipopolysaccharide-binding protein	0,16	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,07%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P51884	Lumican	0,35	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,15%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q643R3	Lysophospholipid acyltransferase LPCAT4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,07	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%
Q9UJ55	MAGE-like protein 2	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,03	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
Q969M1	Mitochondrial import receptor subunit TOM40B	0,00	0,00	0,00	0,00	0,11	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,04%	0,00%
P30307	M-phase inducer phosphatase 3	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
O94760	N(G),N(G)-dimethylarginine dimethylaminohydrolase 1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,03	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
P43490	Nicotinamide phosphoribosyltransferase	0,00	0,00	0,00	0,05	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
Q9GZM8	Nuclear distribution protein nudE-like 1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
Q9ULE6	Paladin	0,00	0,00	0,04	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%	0,00%	0,00%
P05155	Plasma protease C1 inhibitor	0,00	0,51	0,00	0,50	0,00	0,15	0,00%	0,09%	0,00%	0,11%	0,00%	0,03%
P00747	Plasminogen	0,00	1,14	0,00	0,88	0,00	0,71	0,00%	0,21%	0,00%	0,19%	0,00%	0,16%
P20742	Pregnancy zone protein	0,00	0,48	0,00	0,18	0,00	0,34	0,00%	0,09%	0,00%	0,04%	0,00%	0,08%
P27918	Properdin	0,66	0,00	0,10	0,00	0,00	0,00	0,28%	0,00%	0,04%	0,00%	0,00%	0,00%
P02760	Protein AMBP	0,00	0,43	0,00	0,37	0,00	0,17	0,00%	0,08%	0,00%	0,08%	0,00%	0,04%
Q5VWN6	Protein FAM208B	0,00	0,00	0,13	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,06%	0,00%	0,00%	0,00%
Q9UKS6	Protein kinase C and casein kinase substrate in neurons protein 3	0,03	0,00	0,00	0,14	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,00%	0,03%	0,00%	0,00%
Q53QV2	Protein LBH	0,00	0,00	0,00	0,02	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q9HAS0	Protein Njmu-R1	0,00	1,83	0,15	3,24	0,10	1,63	0,00%	0,33%	0,06%	0,68%	0,03%	0,37%
P00734	Prothrombin	5,94	0,76	0,00	0,72	0,03	0,59	2,50%	0,14%	0,00%	0,15%	0,01%	0,13%
Q9BXF6	Rab11 family-interacting protein 5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
Q92681	Regulatory solute carrier protein family 1 member 1	0,00	0,13	0,00	0,00	0,00	0,10	0,00%	0,02%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%
P02753	Retinol-binding protein 4	0,00	0,40	0,00	0,31	0,00	0,24	0,00%	0,07%	0,00%	0,07%	0,00%	0,05%
Q13103	Secreted phosphoprotein 24	0,00	0,00	0,00	0,00	0,13	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,04%	0,00%
Q8TDR2	Serine/threonine-protein kinase 35	0,00	0,00	0,00	0,00	0,05	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%
P02787	Serotransferrin	0,00	15,33	0,00	10,32	0,00	9,83	0,00%	2,78%	0,00%	2,18%	0,00%	2,21%
P02768	Serum albumin	138,42	293,48	110,38	278,53	122,49	200,50	58,15%	53,19%	46,68%	58,88%	39,35%	45,04%
P0DJ18	Serum amyloid A-1 protein	0,10	0,00	0,05	0,00	0,02	0,00	0,04%	0,00%	0,02%	0,00%	0,01%	0,00%
P02743	Serum amyloid P-component	0,00	0,07	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P27169	Serum paraoxonase/arylesterase 1	0,00	0,24	0,00	0,27	0,00	0,10	0,00%	0,04%	0,00%	0,06%	0,00%	0,02%
A7XYQ1	Sine oculis-binding protein homolog	0,02	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q9BZE9	Tether containing UBX domain for GLUT4	0,00	0,00	0,00	0,00	0,15	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,05%	0,00%
P05543	Thyroxine-binding globulin	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%
Q13077	TNF receptor-associated factor 1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,23	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,05%
Q15542	Transcription initiation factor TFIID subunit 5	0,00	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%
Q15361	Transcription termination factor 1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,32	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,10%	0,00%
O75410	Transforming acidic coiled-coil-containing protein 1	0,00	0,00	0,00	0,00	0,04	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%
Q2T9K0	Transmembrane protein 44	0,00	0,00	0,00	0,00	0,13	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,04%	0,00%
P02766	Transthyretin	0,98	3,33	1,66	2,37	0,82	2,44	0,41%	0,60%	0,70%	0,50%	0,26%	0,55%
Q8NDV7	Trinucleotide repeat-containing gene 6A protein	0,00	0,00	0,00	0,00	0,05	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%

Accession	Protein name	Average amount [fmol] of total protein						Average percentage of total protein					
		PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP	PC HS	HS	PC HHP	HHP	PC HCP	HCP
Q9UPQ4	Tripartite motif-containing protein 35	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,06	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,01%
P04350;A6NNZ2;Q3ZCM7;Q9BUF5	Tubulin beta-4A chain	0,00	0,08	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q96S19	UPF0585 protein C16orf13	0,00	0,07	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
Q2YD98	UV-stimulated scaffold protein A	0,00	0,00	0,04	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,02%	0,00%	0,00%	0,00%
P02774	Vitamin D-binding protein	0,91	1,38	0,64	1,20	0,70	0,87	0,38%	0,25%	0,27%	0,25%	0,22%	0,20%
P04070	Vitamin K-dependent protein C	0,00	0,00	0,00	0,00	0,33	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,11%	0,00%
P07225	Vitamin K-dependent protein S	0,00	0,00	0,00	0,00	0,68	0,00	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,22%	0,00%
P04004	Vitronectin	22,80	1,10	45,00	0,85	32,70	0,71	9,58%	0,20%	19,03%	0,18%	10,50%	0,16%
Q9NQW7	Xaa-Pro aminopeptidase 1	0,00	0,00	0,03	0,00	0,00	0,00	0,00%	0,00%	0,01%	0,00%	0,00%	0,00%
Q6ZN30	Zinc finger protein basonuclin-2	0,66	0,00	0,00	0,00	0,00	0,00	0,28%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%	0,00%
P25311	Zinc-alpha-2-glycoprotein	0,00	0,53	0,00	0,37	0,00	0,23	0,00%	0,10%	0,00%	0,08%	0,00%	0,05%