

Supporting Information

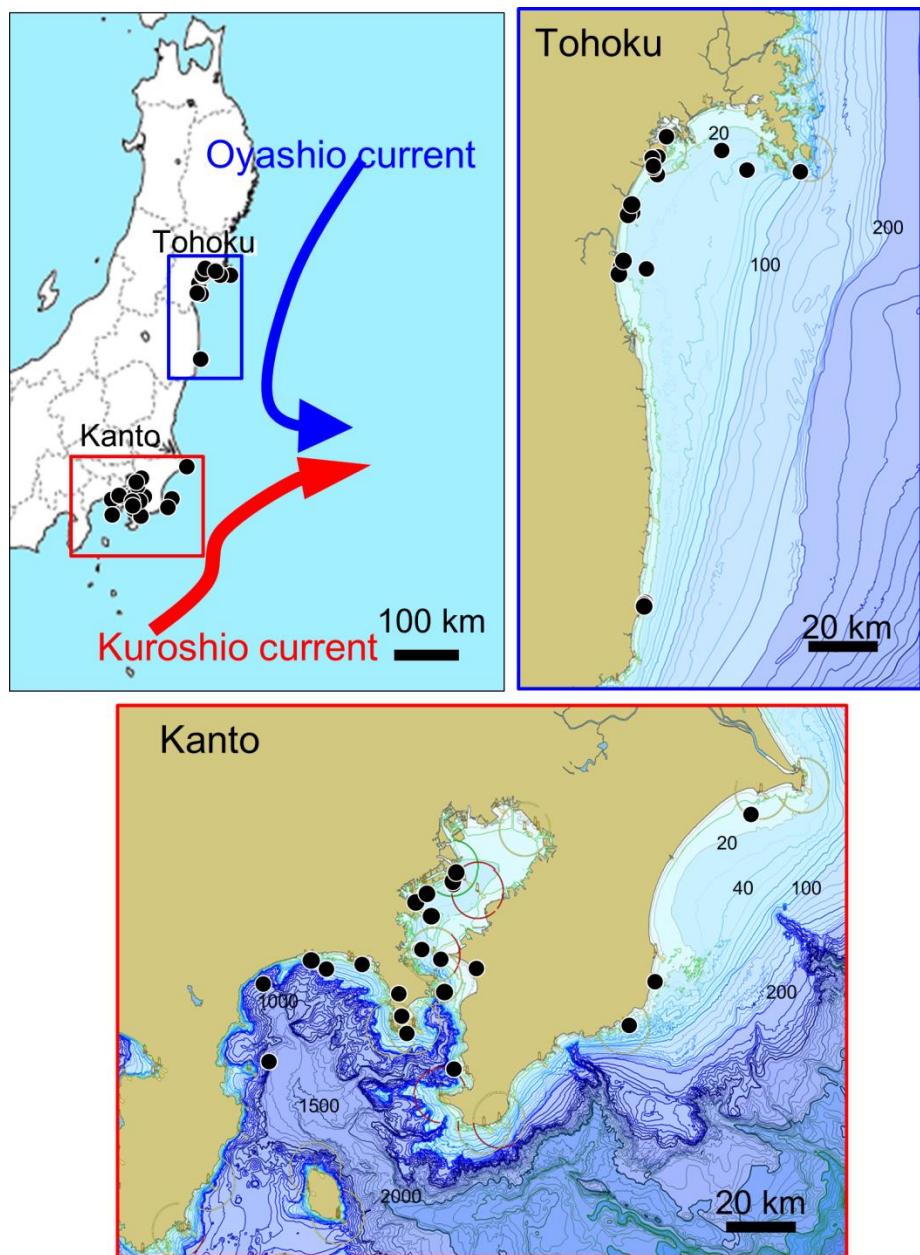
**Chemoecological network analysis of regional fish habitats using variations in chemical and microbial
signatures**

Taiga Asakura^[1, 2], Kenji Sakata^[1], Yasuhiro Date^[1, 2], and Jun Kikuchi *^[1, 2, 3]

[1] RIKEN Center for Sustainable Resource Science, 1-7-22 Suehirocho, Tsurumi-ku, Yokohama, Kanagawa 230-0045, Japan

[2] Graduate School of Medical Life Science, Yokohama City University, 1-7-29 Suehirocho, Tsurumi-ku, Yokohama, Kanagawa 230-0045, Japan

[3] Graduate School of Bioagricultural Sciences, Nagoya University, 1 Furo-cho, Chikusa-ku, Nagoya, Aichi 464-0810, Japan



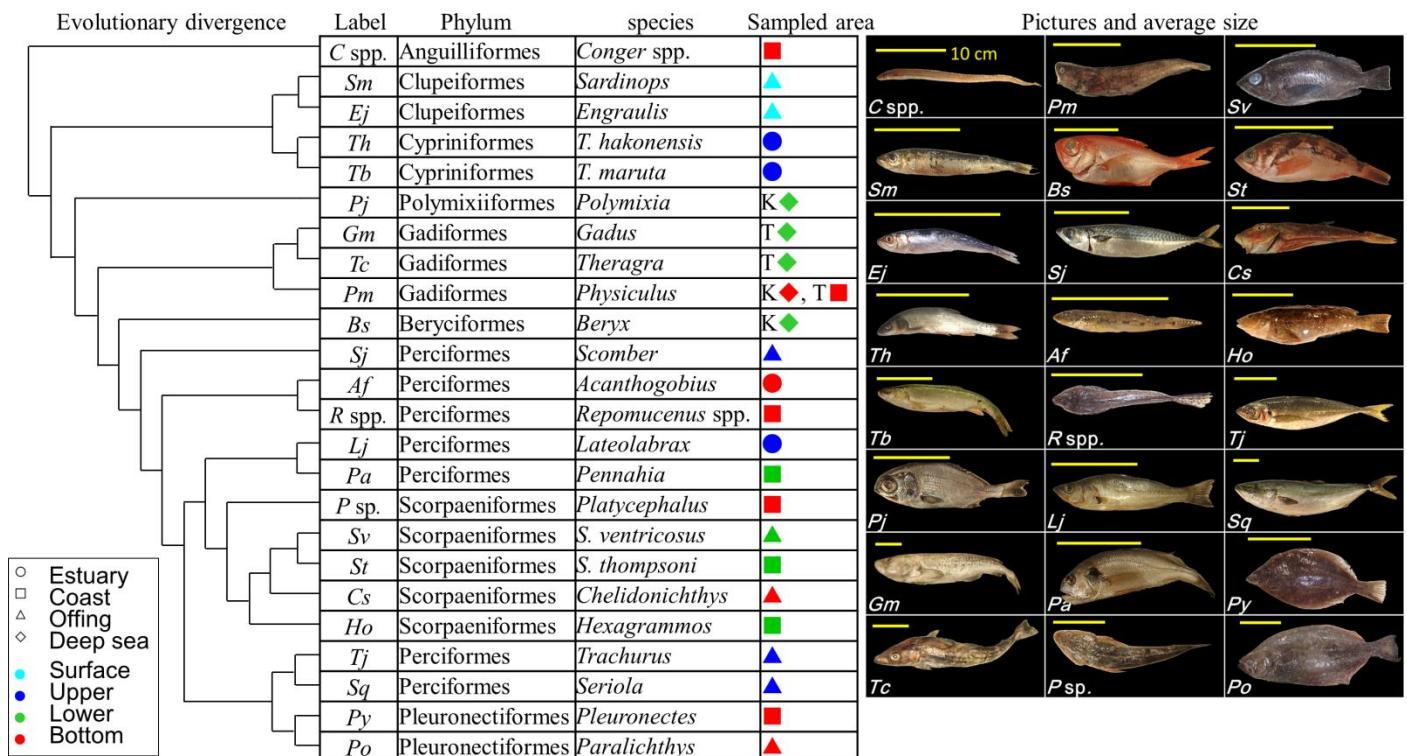
Supplemental Figure S1. Sampling regions and sampling points

The arrows indicate the major ocean currents. The species of fish that were sampled at each point are shown in Table S1.

The Large-scale map is created by Keisuke Inoue and distributed under license of CC BY 4.0

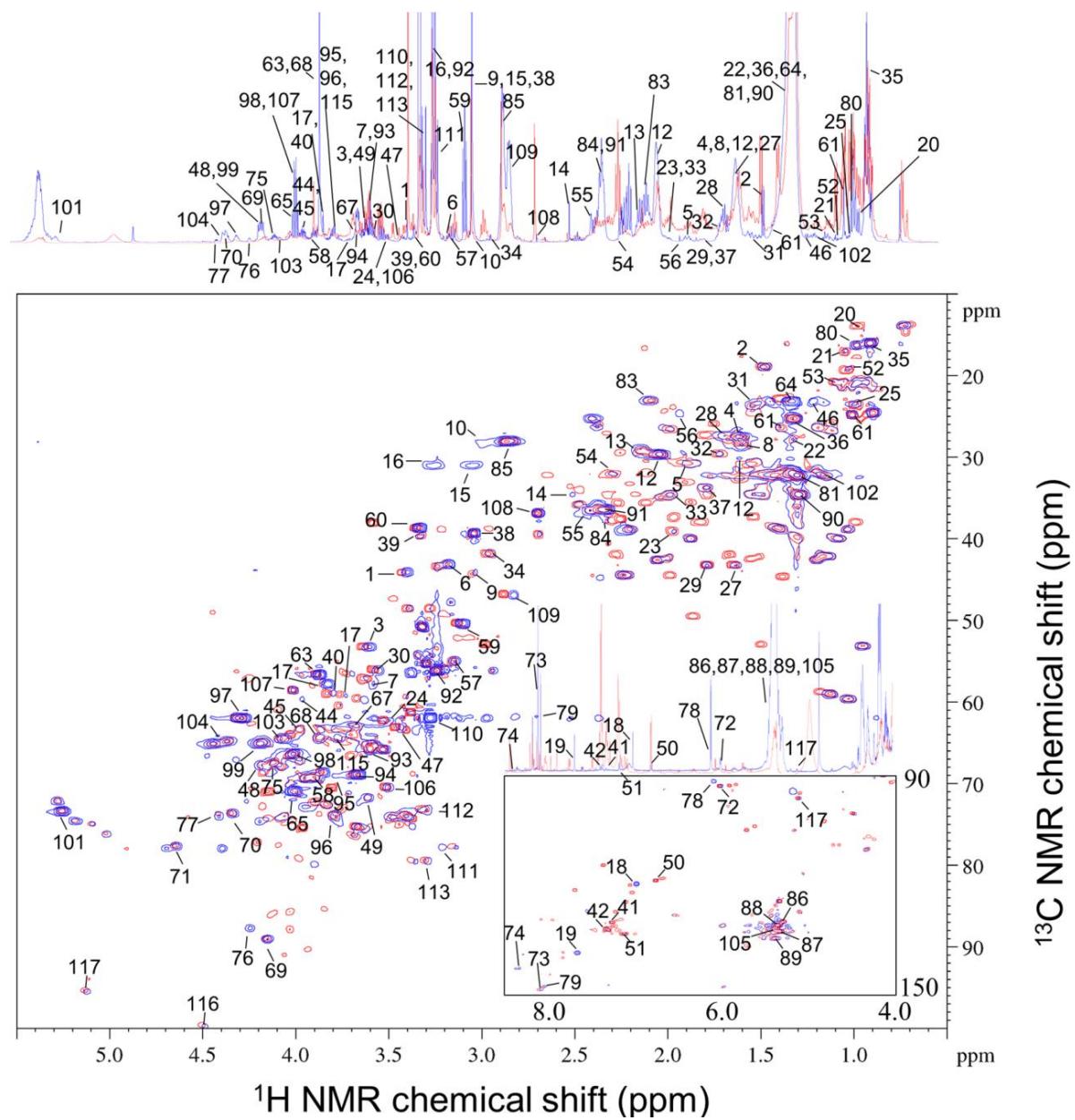
(<https://creativecommons.org/licenses/by/4.0/>) on (<http://www.freemap.jp/item/japan/japan1.html>) and modified by Taiga Asakura.

Maps of enlarged bathymetric charts were obtained from the New Pec software version 2.30 (<http://www.jha.or.jp/>).



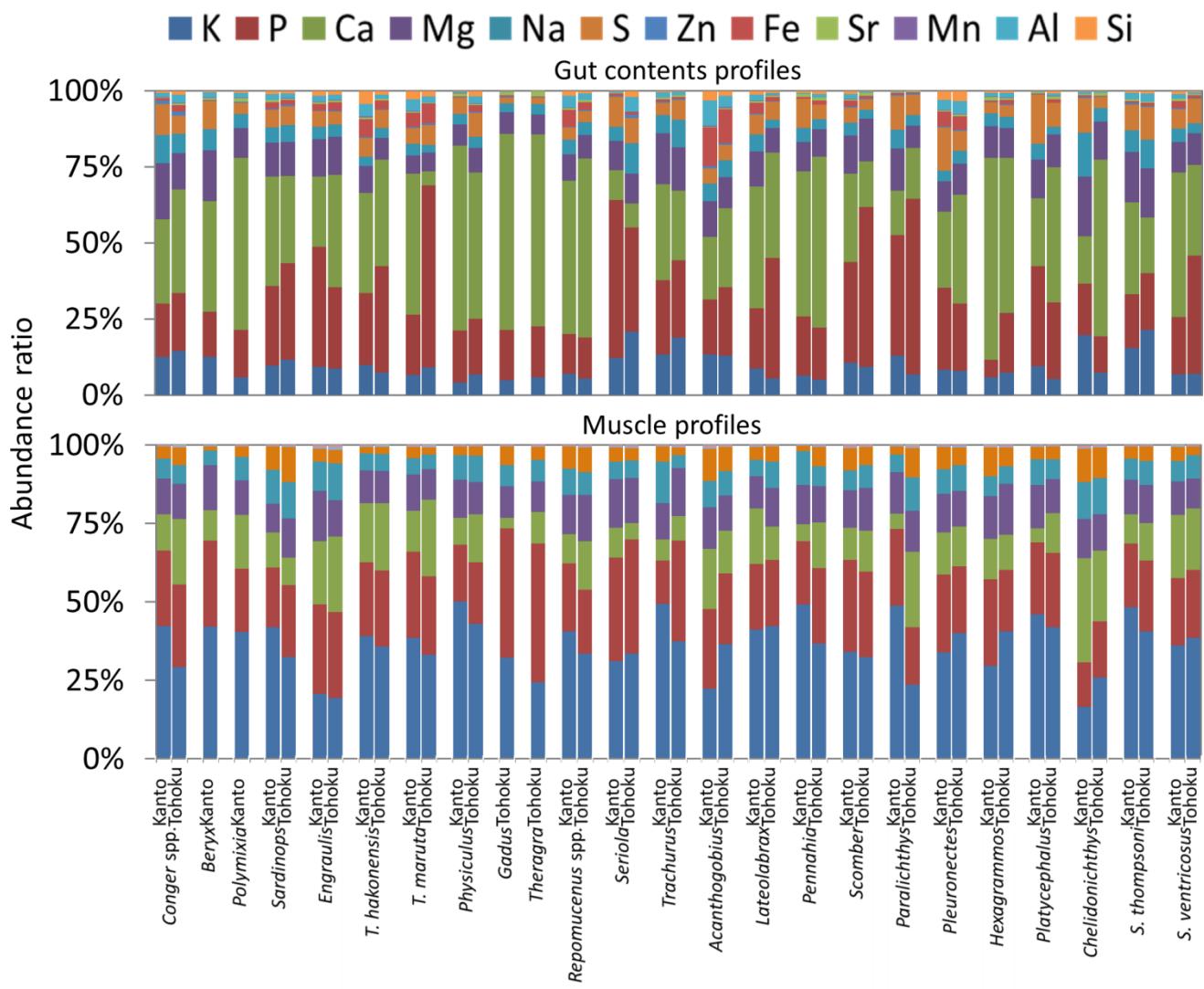
Supplemental Figure S2. Phylogenetic position and habitat labels of sampled fishes

Schematic tree diagram was depicted by published phylogenetic analyses. Fish species abbreviations and habitat labels used in other figures. The photo shows representative fish species; the yellow bar indicates a 1-cm scale. All photographs were taken by T. Asakura.



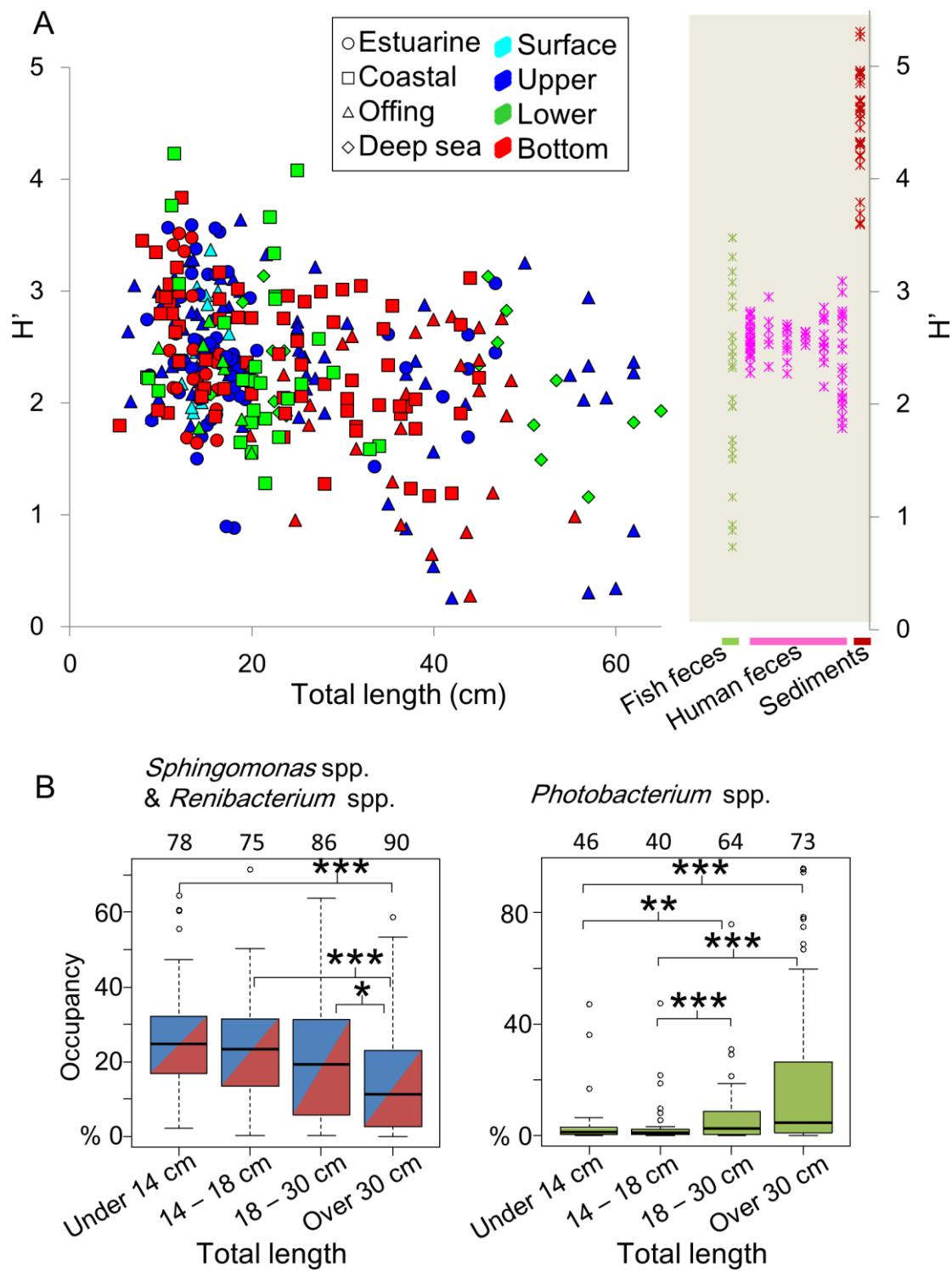
Supplemental Figure S3. Phylogenetic position and habitat labels of sampled fishes

^1H - ^{13}C HSQC spectra of methanol-soluble component profiles from muscle tissue (blue) and gut contents (red). Peak numbers and annotated metabolites are listed in Supplementary Table S2.



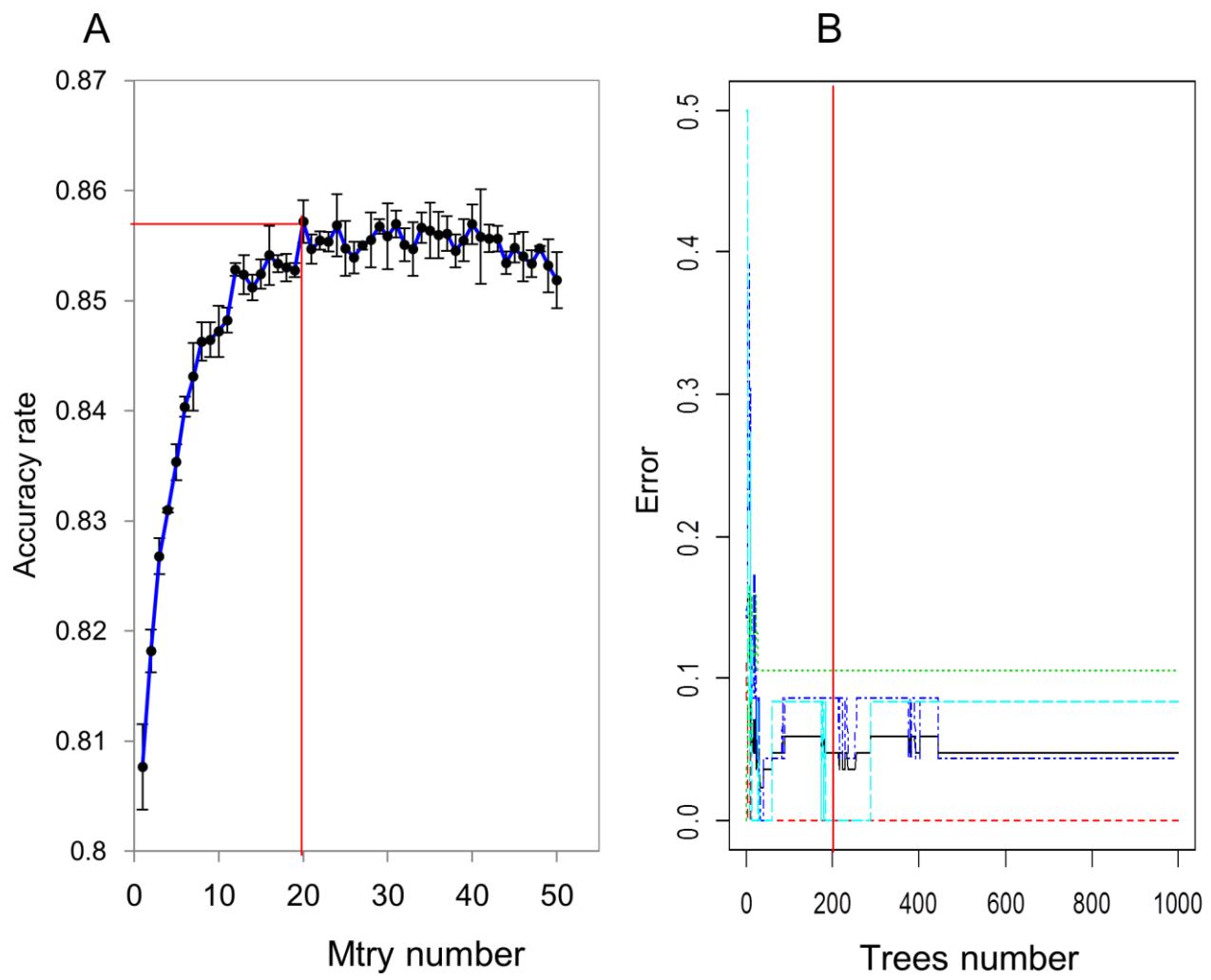
Supplemental Figure S4. The inorganic profiles of muscle and gut contents of individual species

The inorganic ion ratio of muscle and gut contents were measured by inductively coupled plasma-optical emission spectrometry (ICP-OES). Upper panel shows gut contents whereas the lower panel shows muscle profile.



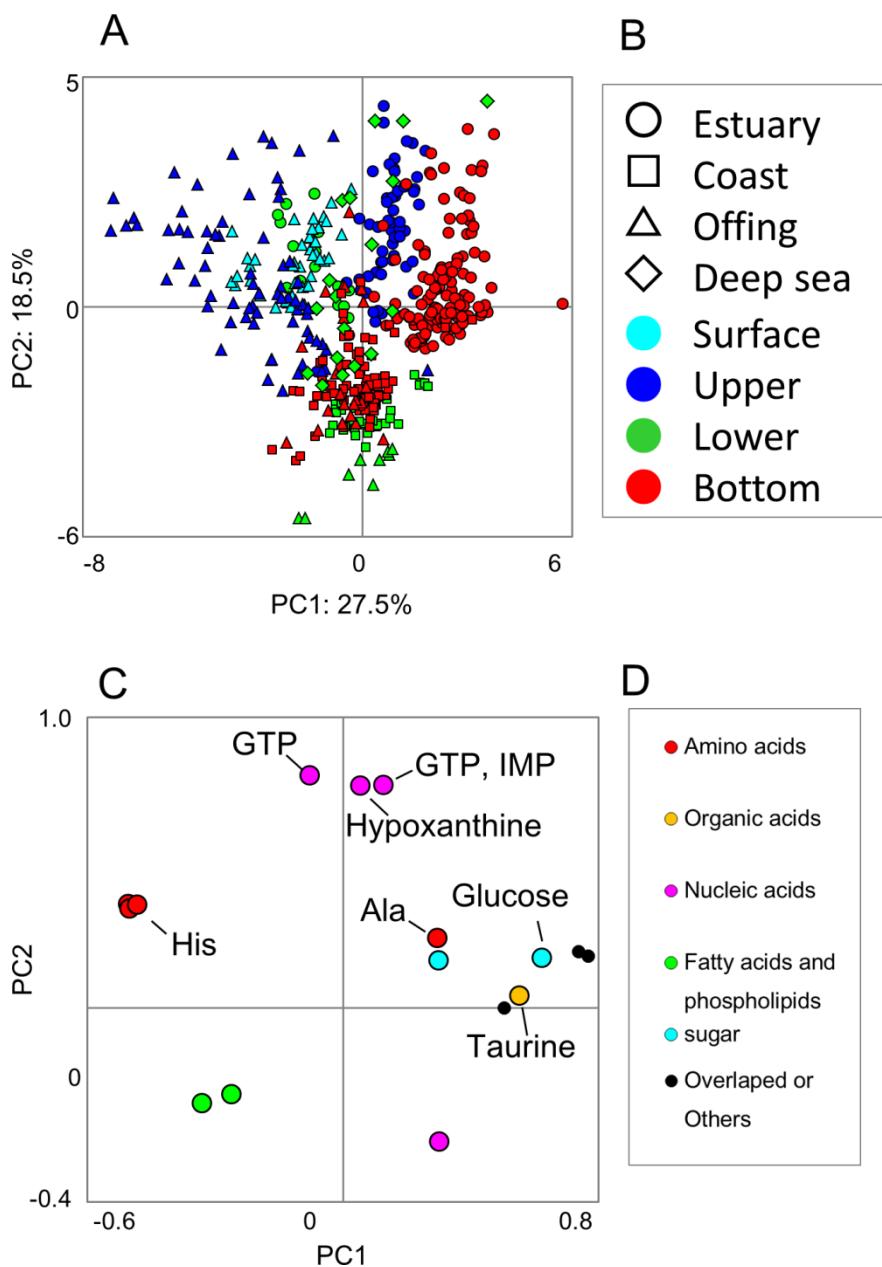
Supplemental Figure S5. The Shannon diversity index (H') of gut microbiota profiles analyzed using a MiSeq sequencer

(A) Plot of the total length of fish samples versus the diversity index. For comparisons, microbiota diversity indices of fish feces, human feces, and sediment measured under the same MiSeq machine were also shown. (B) The relationships between bacterial occupancy and the size (total length) of sequenced fish species.



Supplemental Figure S6. Hyperparameter estimations for random forest analysis.

(A) Determination of the Mtry number. (B) Determination of tree number.

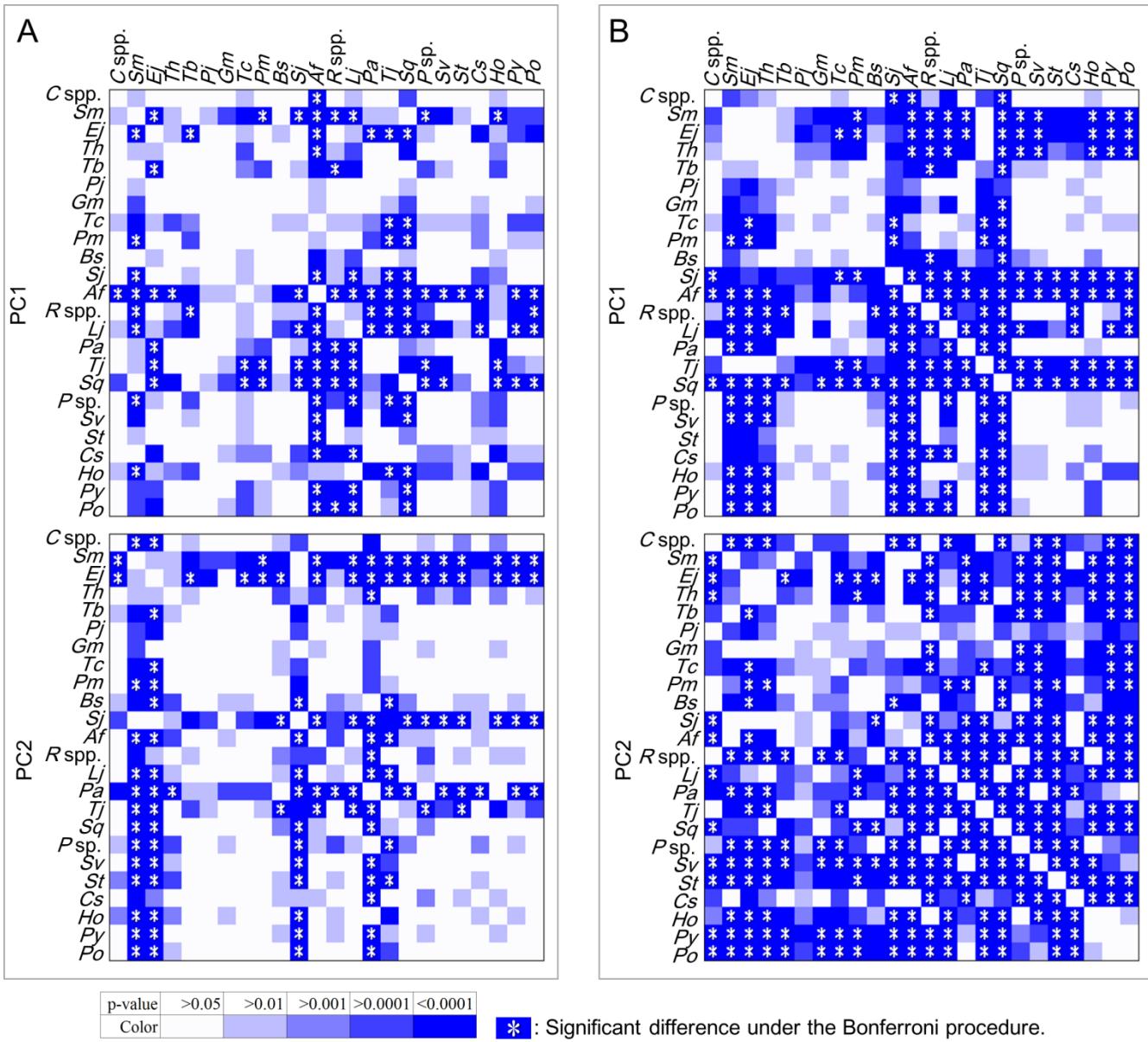


Supplemental Figure S7. Principle component analysis (PCA) of muscle metabolic profiles based on ^1H -NMR spectra using selected importance variables.

Metabolic profiles of muscle tissue ($n = 286$, $k = 16$) were evaluated by: (A) a plot of PCA scores and (C) plot of loadings.

(B) The symbols on PCA plot express differences in distance from land by the shape and differences of the depth by color.

(D) The colors on PCA loadings plot indicate characteristic metabolites.



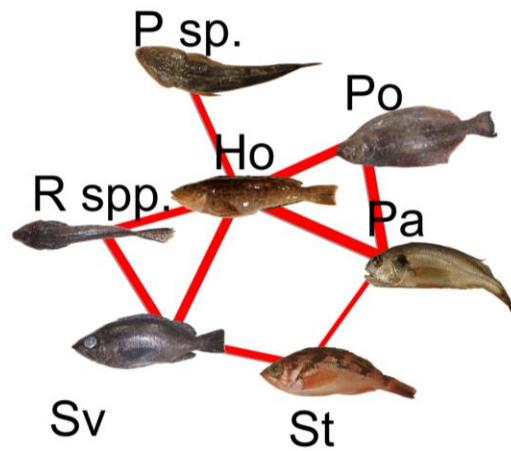
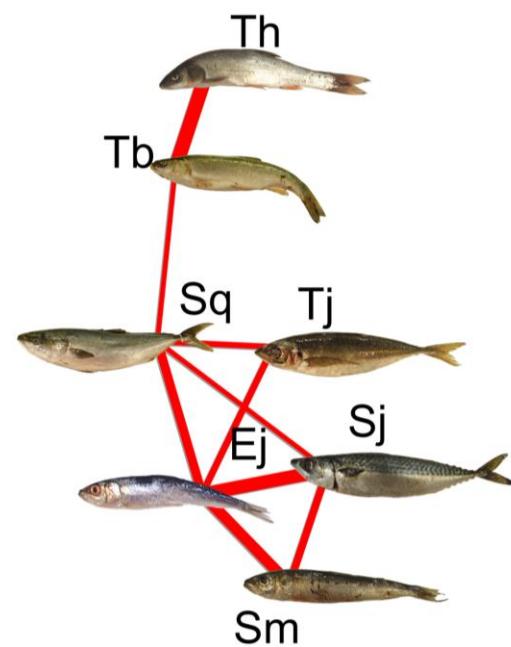
Supplemental Figure S8. Significant test of species performed using principal components of all or selected

importance variables obtained from the muscle metabolic profile.

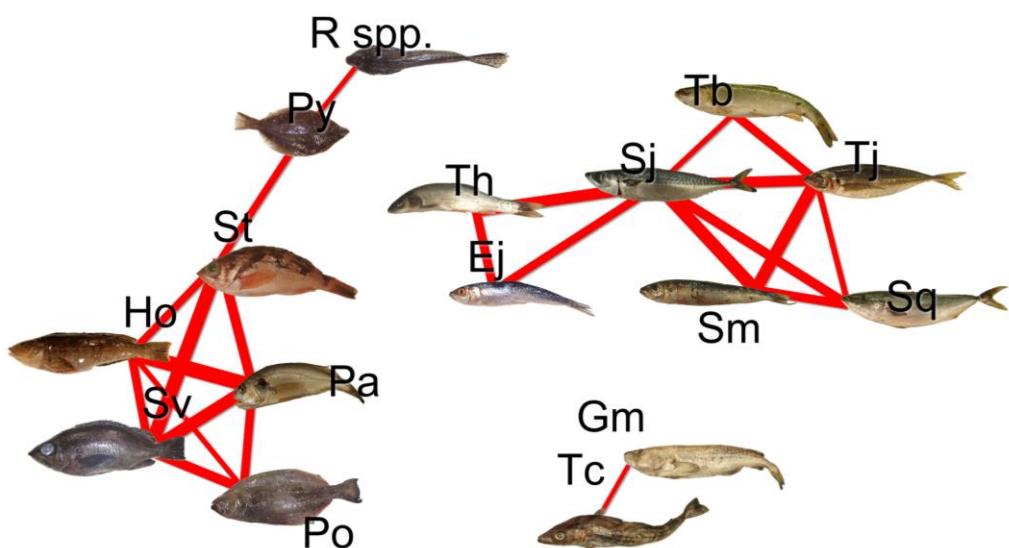
(A) Result of significant difference test for each species along principal components 1 and 2 using all variables. (B) Result of significant difference test for each species of principal components 1 and 2 using selected variables. Degree of significance was obtained using the Mann-Whitney U test, and the p-value is shown by variations in color. The asterisk indicates a specimen in which a significant difference was observed under the Bonferroni procedure (0.05 / 276 <). Species abbreviations are provided in Figure S2.

A

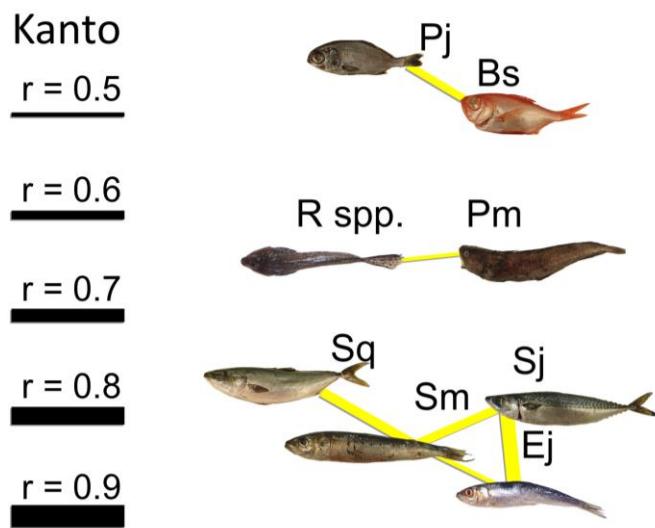
Kanto

 $r = 0.5$ $r = 0.6$ $r = 0.7$ $r = 0.8$ $r = 0.9$ 

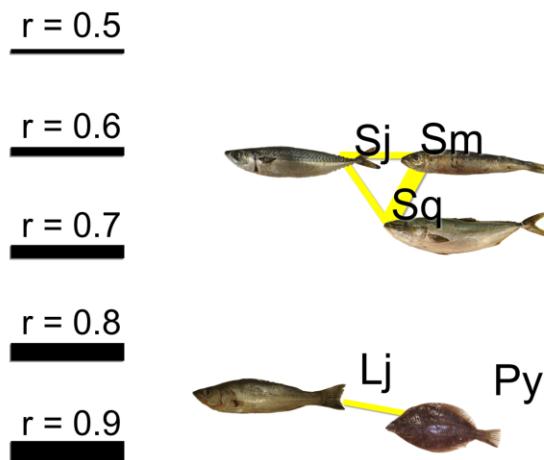
Tohoku

 $r = 0.5$ $r = 0.6$ $r = 0.7$ $r = 0.8$ $r = 0.9$ 

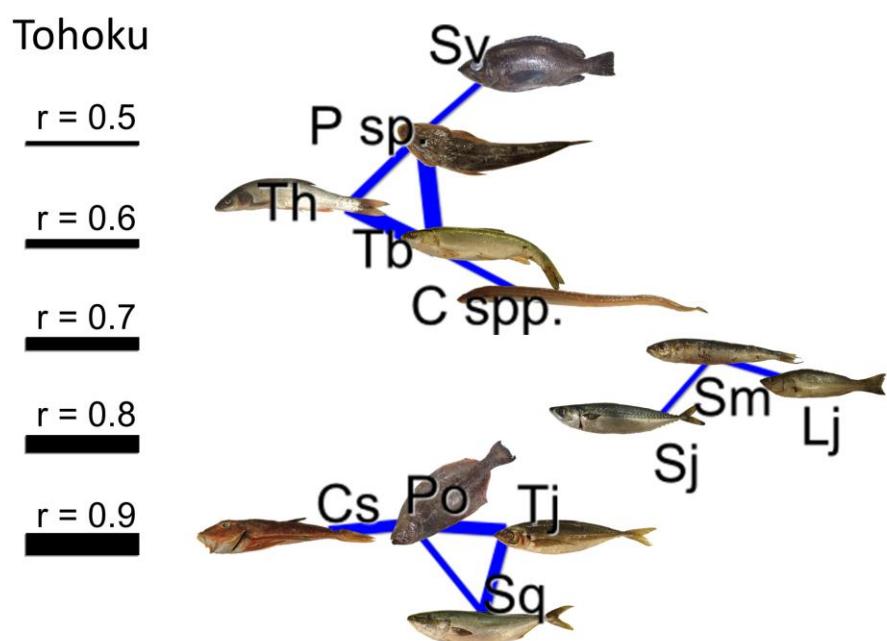
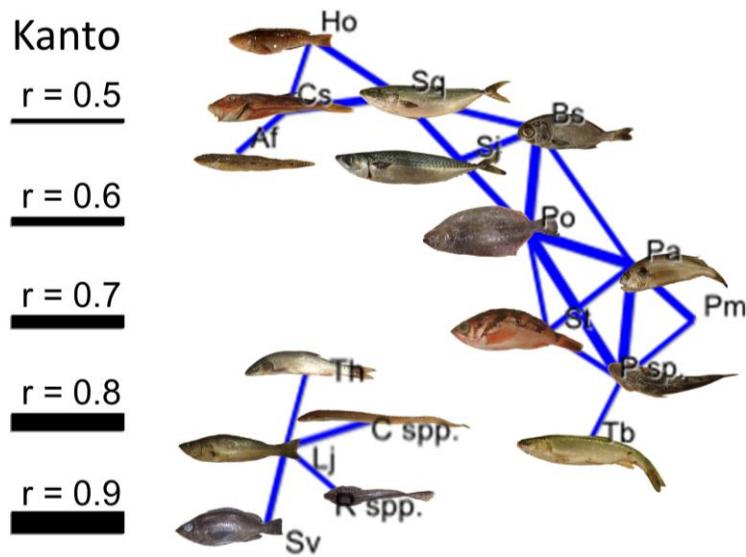
B

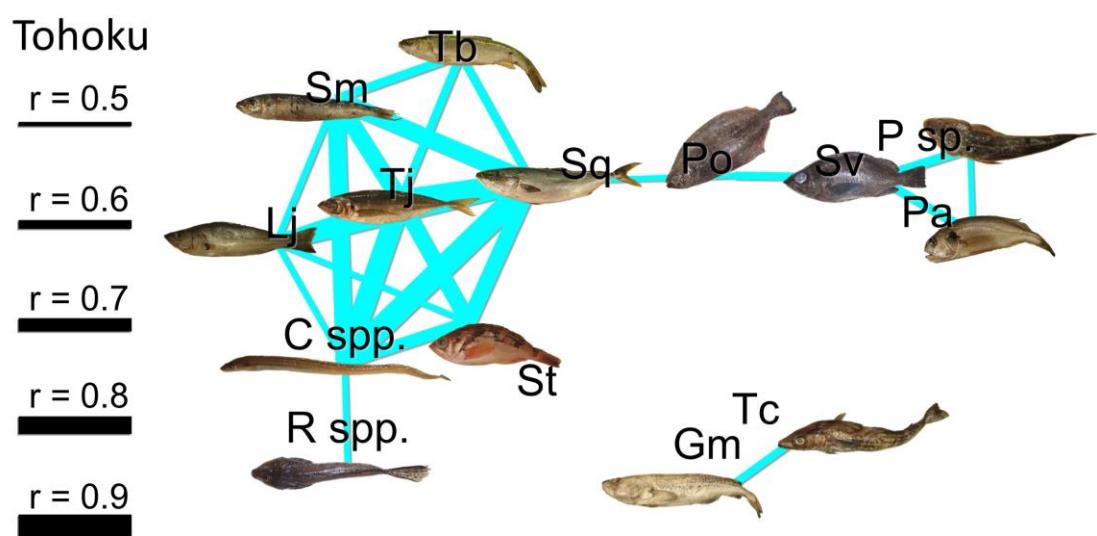
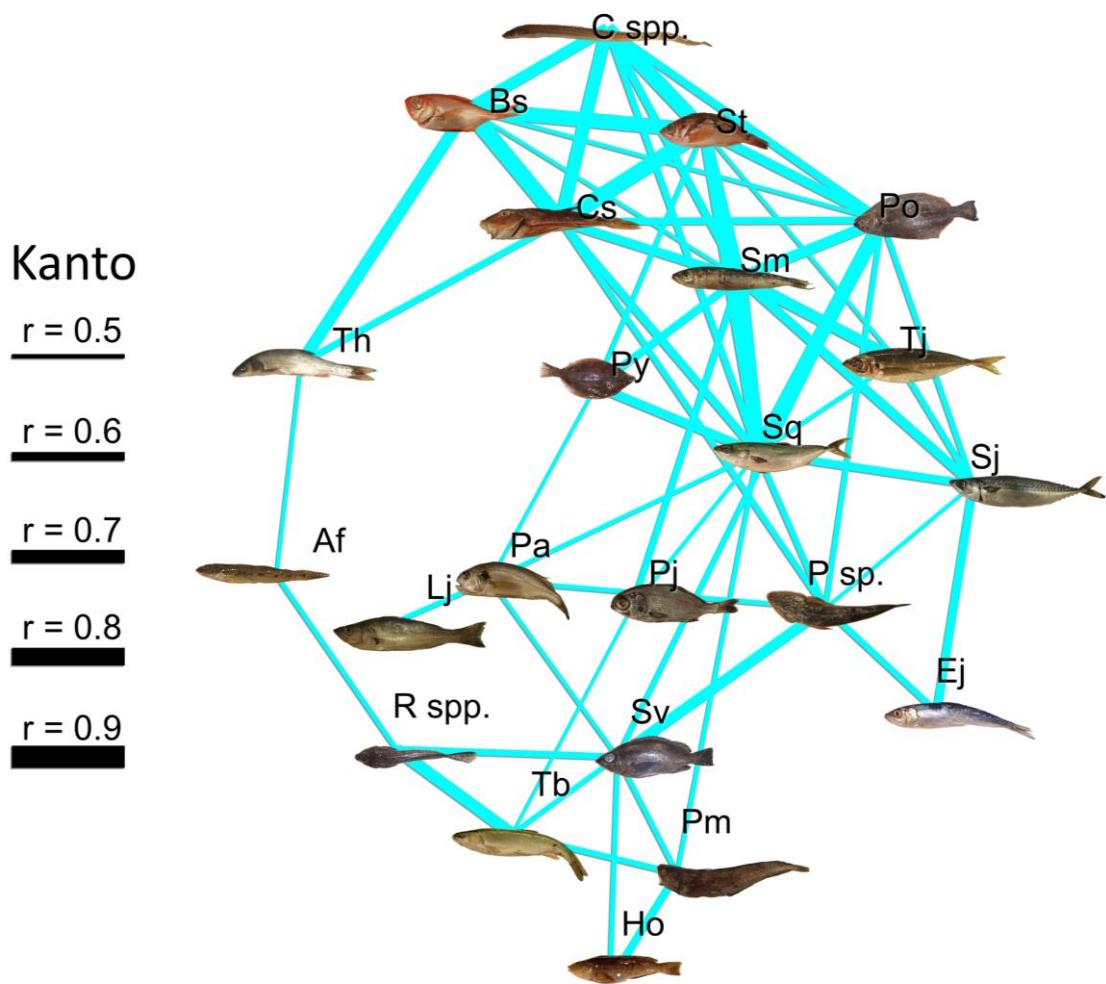


Tohoku

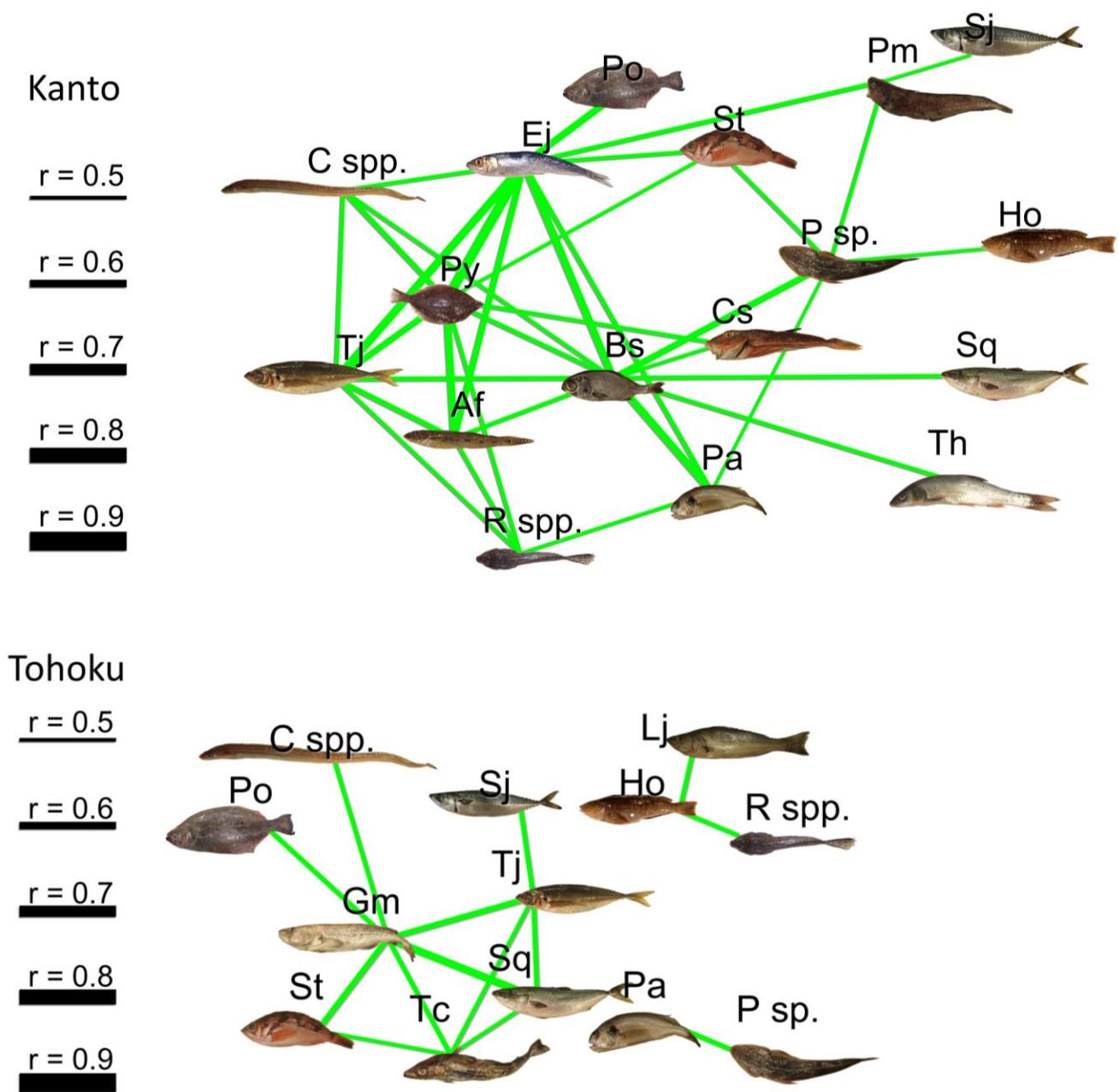


C



D

E



Supplemental Figure S9. correlation networks of fishes in Kanto and Tohoku regions.

Line thicknesses show the correlation coefficients ($r =$) of the respective profiles. (A) Muscle metabolic profile network with red line. (B) Gut content metabolic profile network with yellow line. (C) Muscle mineral profile network with blue line. (D) Gut content mineral profile network with cyan line. (E) Gut microbiome profile network with green line.

Supplemental table S1. List of fish species, sampling region, size, and numbers of collected samples.

Order	Family	Genus	Species	Label	Sampled region	Size (cm)	(SD)	Number of muscle Kanto	Number of muscle Tohoku	Number of gut contents Kanto	Number of gut contents Tohoku
Anguilliformes	Congridae	<i>Conger</i>	<i>Conger</i> spp.	<i>C</i> spp.	Kanto and Tohoku	27.5	(3.17)	5	5	4	5
Clupeiformes	Clupeidae	<i>Sardinops</i>	<i>Sardinops melanostictus</i>	<i>Sm</i>	Kanto and Tohoku	15.7	(14.82)	6	6	5	3
Clupeiformes	Engraulidae	<i>Engraulis</i>	<i>Engraulis japonicus</i>	<i>Ej</i>	Kanto and Tohoku	14	(2.92)	9	21	6	6
Cypriniformes	Cyprinidae	<i>Tribolodon</i>	<i>Tribolodon hakonensis</i>	<i>Th</i>	Kanto and Tohoku	13.4	(4.77)	3	8	3	8
Cypriniformes	Cyprinidae	<i>Tribolodon</i>	<i>Tribolodon brandti maruta</i>	<i>Tb</i>	Kanto and Tohoku	29.1	(2.62)	5	5	5	5
Polymixiiformes	Polymixiidae	<i>Polymixia</i>	<i>Polymixia japonica</i>	<i>Pj</i>	Kanto	18.6	(5.44)	3	-	3	-
Gadiformes	Gadidae	<i>Gadus</i>	<i>Gadus macrocephalus</i>	<i>Gm</i>	Tohoku	55.9	(0.67)	-	5	5	5
Gadiformes	Gadidae	<i>Theragra</i>	<i>Theragra chalcogramma</i>	<i>Tc</i>	Tohoku	47.6	(5.60)	-	5	5	5
Gadiformes	Moridae	<i>Physiculus</i>	<i>Physiculus maximowiczi</i>	<i>Pm</i>	Kanto and Tohoku	24.1	(1.84)	5	6	4	5
Beryciformes	Berycidae	<i>Beryx</i>	<i>Beryx splendens</i>	<i>Bs</i>	Kanto	22.9	(3.01)	5	-	5	-
Perciformes	Scombridae	<i>Scomber</i>	<i>Scomber japonicus</i>	<i>Sj</i>	Kanto and Tohoku	20.8	(10.70)	24	5	10	5
Perciformes	Gobiidae	<i>Acanthogobius</i>	<i>Acanthogobius flavimanus</i>	<i>Af</i>	Kanto and Tohoku	13.7	(4.13)	86	38	11	7
Perciformes	Callionymidae	<i>Repomucenus</i>	<i>Repomucenus</i> spp.	<i>R</i> spp.	Kanto and Tohoku	10.2	(5.39)	9	8	6	5
Perciformes	Lateolabracidae	<i>Lateolabrax</i>	<i>Lateolabrax japonicus</i>	<i>Lj</i>	Kanto and Tohoku	22.7	(6.55)	41	5	9	5
Perciformes	Sciaenidae	<i>Pennahia</i>	<i>Pennahia argentata</i>	<i>Pa</i>	Kanto and Tohoku	22.7	(3.16)	5	5	5	5
Scorpaeniformes	Platycephalidae	<i>Platycephalus</i>	<i>Platycephalus</i> sp.	<i>P</i> sp.	Kanto and Tohoku	36.7	(8.04)	11	5	5	5
Scorpaeniformes	Sebastidae	<i>Sebastes</i>	<i>Sebastes ventricosus</i>	<i>Sv</i>	Kanto and Tohoku	16.8	(6.24)	7	9	5	5
Scorpaeniformes	Sebastidae	<i>Sebastes</i>	<i>Sebastes thompsoni</i>	<i>St</i>	Kanto and Tohoku	15.8	(6.48)	4	5	4	5
Scorpaeniformes	Triglidae	<i>Chelidonichthys</i>	<i>Chelidonichthys spinosus</i>	<i>Cs</i>	Kanto and Tohoku	35.3	(5.27)	5	5	5	5
Scorpaeniformes	Hexagrammidae	<i>Hexagrammos</i>	<i>Hexagrammos otakii</i>	<i>Ho</i>	Kanto and Tohoku	22.3	(10.46)	5	5	5	4
Perciformes	Carangidae	<i>Trachurus</i>	<i>Trachurus japonicus</i>	<i>Tj</i>	Kanto and Tohoku	33.3	(9.34)	17	6	5	7
Perciformes	Carangidae	<i>Seriola</i>	<i>Seriola quinqueradiata</i>	<i>Sq</i>	Kanto and Tohoku	56.8	(5.27)	14	5	12	5
Pleuronectiformes	Pleuronectidae	<i>Pleuronectes</i>	<i>Pleuronectes yokohamae</i>	<i>Py</i>	Kanto and Tohoku	17.2	(10.46)	5	25	5	10
Pleuronectiformes	Paralichthyidae	<i>Paralichthys</i>	<i>Paralichthys olivaceus</i>	<i>Po</i>	Kanto and Tohoku	42.8	(9.34)	7	8	5	5

Supplemental table S2. ^1H and ^{13}C chemical shifts (ppm). Peak numbers are referred to the TMS reference.

Peak number	Class	Metabolite	^1H (ppm)	^{13}C (ppm)
1	Amino acid	Glycine	3.41	44.1
2	Amino acid	L-Alanine	1.47	19.1
3			3.63	53.6
4	Amino acid	L-Arginine	1.61	27.5
5			1.88	30.8
6			3.22	43.5
7			3.62	57.2
8	Amino acid	L-Citrulline	1.60	28.6
5			1.88	30.8
9			3.04	42.5
7			3.62	57.2
12	Amino acid	L-Glutamate	2.10	29.4
13			2.14	29.3
14			2.50	34.1
7			3.62	57.2
15	Amino acid	L-Histidine	3.06	31.1
16			3.22	31.1
17			3.84	57.9
18			7.00	119.1
19			7.69	138.2
20	Amino acid	L-Isoleucine	0.96	14.0
21			0.98	17.3
22			1.34	27.8
4			1.61	27.5
23			1.97	39.1
24			3.50	62.3
25	Amino acid	L-Leucine	1.00	23.4
26			1.01	24.7
27			1.63	43.2
28			1.71	27.2
29			1.79	43.2
30			3.56	56.1

Peak number	Class	Metabolite	1H (ppm)	13C (ppm)
31	Amino acid	L-Lysine	1.49	24.5
32			1.71	29.7
33			1.87	33.1
34			2.95	42.0
7			3.62	57.2
38	Amino acid	L-Phenylalanine	3.03	39.7
39			3.34	39.7
40			3.82	59.2
41			7.28	130.2
42			7.30	132.2
43			7.35	131.7
11	Amino acid	L-Serine	3.73	59.2
44			3.83	63.5
45			3.96	63.5
46	Amino acid	L-Threonine	1.22	23.1
47			3.46	63.4
48			4.15	68.8
49	Amino acid	L-Tyrosine	3.63	73.2
11			3.73	59.2
50			6.78	118.2
51			7.14	133.0
52	Amino acid	L-Valine	1.01	19.4
53			1.06	20.9
54			2.28	32.2
47			3.43	63.2
55	Amino acid	beta-Alanine	2.41	36.5
38			3.03	39.7
10	Amino acid	D-Cysteine	3.00	28.0
40			3.81	59.1
56	Organic acid	Acetate	1.94	24.6
57	Organic acid	Betaine	3.17	56.0
58			3.91	69.2

Peak number	Class	Metabolite	1H (ppm)	13C (ppm)
59	Organic acid	Taurine	3.10	50.3
60			3.34	38.7
38	Organic acid	Creatine	3.03	39.7
63			3.87	56.6
64	Organic acid	L-Lactate	1.34	23.1
65			4.09	71.0
52	Organic acid	alpha-Ketovaline	1.01	19.4
38			3.04	39.3
67	Nucleic acid	GTP	3.69	64.1
68			3.87	64.4
69			4.16	89.0
70			4.33	73.6
71			4.65	77.7
72			6.03	92.0
73			8.10	148.3
74			8.36	142.6
75	Nucleic acid	IMP	4.12	67.4
76			4.25	87.7
77			4.42	73.9
71			4.65	77.7
78			6.11	90.8
73			8.10	148.3
74			8.36	142.6
79	Nucleic acid	Hypoxanthine	8.05	147.6
80	Fatty acid ω3	alpha-Linolenic acid	0.98	16.2
81			1.30	32.2
82			1.56	27.4
83			2.11	23.0
13			2.14	29.3
84			2.34	37.4
85			2.87	28.1
86			5.32	129.7
87			5.36	132.3
88			5.39	130.5
89			5.42	134.2

Peak number	Class	Metabolite	1H (ppm)	13C (ppm)
35	Fatty acid ω6	gamma-Linolenic acid	0.92	15.9
90			1.30	34.6
81			1.30	32.2
82			1.56	27.4
12			2.05	29.6
91			2.34	36.5
85			2.87	28.1
36			1.33	25.3
80	Fatty acid ω6	Linoleate	0.98	16.2
90			1.30	34.6
81			1.30	32.2
36			1.33	25.3
82			1.56	27.4
12			2.09	29.3
84			2.34	37.4
87			5.36	132.3
88			5.39	130.5
92	Fatty acid phospholipid	Glycerophosphocholine	3.24	56.1
93			3.60	65.5
94			3.66	68.9
95			3.77	68.9
96			3.79	73.9
58			3.91	69.2
97			4.29	62.0
80	Fatty acid phospholipid	Phosphatidylcholine	0.98	16.2
81			1.30	32.2
90			1.30	34.6
36			1.33	25.3
4			1.61	27.5
55			2.41	36.5
92			3.24	56.1
94			3.66	68.9
98			4.02	66.3
99			4.20	65.1
97			4.29	62.0
100			4.44	65.1
101			5.26	73.3

Peak number	Class	Metabolite	1H (ppm)	13C (ppm)
35	Fatty acid phospholipid	Phosphatidylethanolamine	0.92	15.9
102			1.18	32.1
81			1.30	32.2
90			1.30	34.6
36			1.33	25.3
82			1.56	27.4
4			1.61	27.5
12			2.05	29.6
91			2.34	36.5
55			2.41	36.5
85			2.87	28.1
6			3.22	43.5
98			4.02	66.3
103			4.06	64.5
99			4.20	65.1
104			4.38	64.8
101			5.26	73.3
87			5.36	132.3
88			5.39	130.5
105			5.40	131.7
92	Other compounds	Choline	3.24	56.1
106			3.50	70.5
107			4.02	58.5
108	Other compounds	Dimethylamine	2.73	37.2
109	Other compounds	Trimethylamine	2.83	46.9
110	Other compounds	Trimethylamine N-oxide	3.28	62.0
111	Sugar	D-Glucose	3.21	77.9
112			3.30	73.2
113			3.30	79.5
114			3.38	75.2
67			3.69	64.1
115			3.77	64.4
68			3.87	64.4
116			4.49	99.7
117			5.13	95.5

Supplemental table S3. Confusion matrix of species and geographical classification model evaluated by leave-one-out cross-validation.

Supplemental table S4. Importance variables.

Muscle metabloites	1.45	Amino acids	Ala
	3.36	Amino acids	Gly
	3.78	Amino acids	His
	6.96	Amino acids	His
	7.63	Amino acids	
	0.95	Fatty acids and phospholipids	
	0.96	Fatty acids and phospholipids	
	5.99	Nucleic acids	GTP
	8.33	Nucleic asids	GTP, IMP
	8.05	Nucleic asids	Hypoxanthine
	8.01	Nucleic asids	Nucleic asids
	3.05	Organic acids	Taurine
	5.09	Sugar	D-Glucose
	6.43	Overlaped or Others	
	7.41	Overlaped or Others	
	8.04	Overlaped or Others	
Gut content metabloites	3.63	Amino acids	Ala
	6.96	Amino acids	His
	3.78	Amino acids	His
	3.51	Amino acids	Lys
	3.57	Amino acids	Lys
	7.63	Amino acids	
	2.22	FA	
	5.99	Nucleic asids	GTP
	6.07	Nucleic asids	GTP
	8.33	Nucleic asids	GTP, IMP
	8.05	Nucleic asids	Hypoxanthine
	3.05	Organic acids	Taurine
	3.2	Phospholipids	
	3.94	Phospholipids	
	3.76	Fatty acids and phospholipids	
	3.36	Sugar	
	4.45	Sugar	
	0.68	Overlaped or Others	
	2.49	Overlaped or Others	
	5.68	Overlaped or Others	
	8.81	Overlaped or Others	
	8.92	Overlaped or Others	
	9.05	Overlaped or Others	
	9.22	Overlaped or Others	

B
Ca
Fe
Hf
K
Mg
Mn
Na
P
S
Sr
Ta
V
Zn

Ba
Er
Fe
K
Gut content inorganic substance Mn
P
S
V
Zn

Gut microbiome

Actinobacteria	f__Actinomycetaceae
Actinobacteria	f__Bifidobacteriaceae
Actinobacteria	f__Coriobacteriaceae
Actinobacteria	f__Corynebacteriaceae
Actinobacteria	f__Microbacteriaceae
Actinobacteria	f__Micrococcaceae
Actinobacteria	f__Mycobacteriaceae
Actinobacteria	f__Propionibacteriaceae
Actinobacteria	o__Actinomycetales
Bacteroidetes	f__Bacteroidaceae
Bacteroidetes	f__Chitinophagaceae
Bacteroidetes	f__Flavobacteriaceae
Bacteroidetes	f__Prevotellaceae
Bacteroidetes	f__Weeksellaceae
Cyanobacteria	c__Chloroplast
Cyanobacteria	f__Synechococcaceae
Firmicutes	f__Bacillaceae
Firmicutes	f__Clostridiaceae
Firmicutes	f__Lachnospiraceae
Firmicutes	f__Peptostreptococcaceae
Firmicutes	f__Ruminococcaceae
Firmicutes	f__Staphylococcaceae
Firmicutes	f__Streptococcaceae
Firmicutes	f__Tissierellaceae
Firmicutes	f__Veillonellaceae
Firmicutes	o__Clostridiales
Fusobacteria	f__Fusobacteriaceae
Planctomycetes	f__Pirellulaceae
Proteobacteria	c__Alphaproteobacteria
Proteobacteria	c__Gammaproteobacteria
Proteobacteria	f__Aeromonadaceae
Proteobacteria	f__Alteromonadaceae
Proteobacteria	f__Bradyrhizobiaceae
Proteobacteria	f__Caulobacteraceae
Proteobacteria	f__Comamonadaceae
Proteobacteria	f__Coxiellaceae
Proteobacteria	f__Enterobacteriaceae
Proteobacteria	f__Methylobacteriaceae
Proteobacteria	f__mitochondria
Proteobacteria	f__Moraxellaceae
Proteobacteria	f__Oxalobacteraceae
Proteobacteria	f__Phyllobacteriaceae
Proteobacteria	f__Pseudomonadaceae
Proteobacteria	f__Rhodobacteraceae
Proteobacteria	f__Shewanellaceae
Proteobacteria	f__Sphingomonadaceae
Proteobacteria	f__Vibrionaceae
Proteobacteria	f__Xanthobacteraceae
Proteobacteria	o__Alteromonadales
Proteobacteria	o__Rhizobiales
Proteobacteria	o__Vibrionales
Proteobacteria	-
Spirochaetes	f__Brevinemataceae
Tenericutes	c__Mollicutes
Tenericutes	f__Mycoplasmataceae
Thermi	f__Deinococcaceae

Supplemental table S5. Spearman correlation value of each profile.

Correlation of Kanto muscle metabolic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Pj	Pm	Bs	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	CS	Ho	Py	Po
C spp.	NA	0.23	0.36	0.13	0.17	0.26	0.21	0.24	0.34	0.13	0.19	0.07	0.35	0.40	0.45	0.13	0.21	0.47	0.02	0.13	0.55	0.23
Sm	0.23	NA	0.65	0.38	0.39	0.09	0.33	0.21	0.57	0.17	NA	0.13	0.07	0.43	0.48	0.29	NA	0.13	0.38	NA	0.17	0.14
Ej	0.36	0.65	NA	0.36	0.44	0.08	0.10	0.25	0.70	0.11	0.08	0.04	0.10	0.55	0.60	0.21	0.01	0.19	0.15	NA	0.23	0.14
Th	0.13	0.38	0.36	NA	0.72	0.18	NA	0.12	0.32	0.19	NA	0.29	0.07	0.26	0.46	0.12	NA	NA	0.31	NA	0.14	0.01
Tb	0.17	0.39	0.44	0.72	NA	0.11	NA	0.19	0.38	0.12	NA	0.17	0.16	0.27	0.51	0.07	NA	0.06	0.48	NA	0.22	0.15
Pj	0.26	0.09	0.08	0.18	0.11	NA	0.26	0.44	0.14	0.19	0.10	0.08	0.41	0.28	0.23	0.35	0.11	0.20	0.25	0.17	0.46	0.32
Pm	0.21	0.33	0.10	NA	NA	0.26	NA	0.43	0.17	0.18	0.16	0.26	0.44	0.28	0.08	0.36	0.23	0.27	0.48	0.49	0.25	0.39
Bs	0.24	0.21	0.25	0.12	0.19	0.44	0.43	NA	0.26	0.11	0.07	0.14	0.39	0.45	0.24	0.31	0.07	0.27	0.25	0.22	0.23	0.31
Sj	0.34	0.57	0.70	0.32	0.38	0.14	0.17	0.26	NA	0.24	0.19	0.10	0.19	0.49	0.51	0.26	0.18	0.24	0.23	0.11	0.28	0.19
Af	0.13	0.17	0.11	0.19	0.12	0.19	0.18	0.11	0.24	NA	0.32	0.35	0.16	0.14	0.13	0.32	0.20	0.18	0.25	0.36	0.19	0.21
R spp.	0.19	NA	0.08	NA	NA	0.10	0.16	0.07	0.19	0.32	NA	0.11	0.29	0.17	0.06	0.42	0.60	0.36	NA	0.57	0.38	0.49
Lj	0.07	0.13	0.04	0.29	0.17	0.08	0.26	0.14	0.10	0.35	0.11	NA	NA	0.16	0.19	0.18	0.16	0.16	0.46	0.13	0.14	0.13
Pa	0.35	0.07	0.10	0.07	0.16	0.41	0.44	0.39	0.19	0.16	0.29	NA	0.36	0.19	0.39	0.31	0.51	NA	0.65	0.45	0.63	
Tj	0.40	0.43	0.55	0.26	0.27	0.28	0.28	0.45	0.49	0.14	0.17	0.16	0.36	NA	0.53	0.26	0.11	0.24	0.21	0.16	0.36	0.30
Sq	0.45	0.48	0.60	0.46	0.51	0.23	0.08	0.24	0.51	0.13	0.06	0.19	0.19	0.53	NA	0.14	NA	0.27	0.18	NA	0.44	0.19
P sp.	0.13	0.29	0.21	0.12	0.07	0.35	0.36	0.31	0.26	0.32	0.42	0.18	0.39	0.26	0.14	NA	0.34	0.31	0.26	0.55	0.26	0.39
Sv	0.21	NA	0.01	NA	NA	0.11	0.23	0.07	0.18	0.20	0.60	0.16	0.31	0.11	NA	0.34	NA	0.57	0.01	0.61	0.18	0.47
St	0.47	0.13	0.19	NA	0.06	0.20	0.27	0.27	0.24	0.18	0.36	0.16	0.51	0.24	0.27	0.31	0.57	NA	NA	0.37	0.45	0.43
Cs	0.02	0.38	0.15	0.31	0.48	0.25	0.48	0.25	0.23	0.25	NA	0.46	NA	0.21	0.18	0.26	0.01	NA	NA	NA	NA	0.03
Ho	0.13	NA	NA	NA	NA	0.17	0.49	0.22	0.11	0.36	0.57	0.13	0.65	0.16	NA	0.55	0.61	0.37	NA	NA	0.25	0.62
Py	0.55	0.17	0.23	0.14	0.22	0.46	0.25	0.23	0.28	0.19	0.38	0.14	0.45	0.36	0.44	0.26	0.18	0.45	NA	0.25	NA	0.41
Po	0.23	0.14	0.14	0.01	0.15	0.32	0.39	0.31	0.19	0.21	0.49	0.13	0.63	0.30	0.19	0.39	0.47	0.43	0.03	0.62	0.41	NA

Correlation of Tohoku muscle metabolic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Gm	Tc	Pm	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	CS	Ho	Py	Po	
C spp.	NA	0.00	0.05	NA	0.07	0.18	0.17	0.27	NA	0.24	0.19	0.16	0.29	NA	0.17	0.19	0.38	0.38	0.20	0.33	0.29	0.27	
Sm	0.00	NA	0.49	0.47	0.36	0.11	0.17	0.12	0.69	0.06	0.10	0.16	NA	0.68	0.60	0.12	0.18	0.06	0.42	NA	0.08	0.21	
Ej	0.05	0.49	NA	0.60	0.20	0.45	0.35	0.25	0.59	0.14	0.19	0.28	NA	0.20	0.32	0.04	0.10	0.15	0.31	0.05	0.14	0.15	
Th	0.47	0.60	NA	0.47	0.36	0.27	0.31	0.31	0.66	0.14	0.15	0.31	NA	0.30	0.40	0.04	0.08	0.09	0.35	NA	0.13	0.15	
Tb	0.07	0.36	0.20	0.47	NA	0.16	0.19	0.33	0.52	0.08	NA	0.28	0.01	0.60	0.32	0.11	0.10	NA	0.28	0.01	0.09	0.08	
Gm	0.18	0.11	0.45	0.36	0.16	NA	0.50	0.32	0.18	0.16	0.08	0.36	0.14	0.14	0.18	0.13	0.17	0.15	0.30	0.16	0.15	0.27	
Tc	0.17	0.17	0.35	0.27	0.19	0.50	NA	0.40	0.20	0.14	0.07	0.34	0.06	0.08	0.21	0.17	0.14	0.11	0.39	0.04	0.14	0.18	
Pm	0.27	0.12	0.25	0.31	0.33	0.32	0.40	NA	0.25	0.34	0.19	0.21	0.27	0.10	0.27	0.27	0.29	0.36	0.29	0.45	0.30	0.30	
Sj	NA	0.69	0.59	0.66	0.52	0.18	0.20	0.25	NA	0.06	0.07	0.27	NA	0.65	0.62	0.06	0.06	NA	0.45	NA	0.06	0.12	
Af	0.24	0.06	0.14	0.14	0.08	0.16	0.14	0.34	0.06	NA	0.33	0.19	0.33	0.10	0.08	0.28	0.19	0.27	0.20	0.39	0.31	0.21	
R spp.	0.19	0.10	0.19	0.15	NA	0.08	0.07	0.19	0.07	0.07	0.33	NA	0.27	0.35	NA	0.07	0.10	0.29	0.47	0.19	0.43	0.51	0.21
Lj	0.16	0.16	0.28	0.31	0.28	0.36	0.34	0.21	0.27	0.19	0.27	NA	0.14	0.32	0.27	0.17	0.14	0.05	0.35	0.27	0.11	0.20	
Pa	0.29	NA	NA	NA	0.01	0.14	0.06	0.27	NA	0.33	0.35	0.14	NA	0.06	0.23	0.49	0.68	0.62	0.15	0.74	0.40	0.59	
Tj	NA	0.68	0.20	0.30	0.60	0.14	0.08	0.10	0.65	0.10	NA	0.32	0.06	NA	0.53	0.18	0.15	NA	0.44	0.09	0.09	0.18	
Sq	0.17	0.60	0.32	0.40	0.32	0.18	0.21	0.27	0.62	0.08	0.07	0.27	0.23	0.53	NA	0.13	0.22	0.07	0.35	0.16	0.21	0.21	
P sp.	0.19	0.12	0.04	0.04	0.11	0.13	0.17	0.27	0.06	0.28	0.10	0.17	0.49	0.18	0.13	NA	0.39	0.30	0.11	0.36	0.25	0.40	
Sv	0.38	0.18	0.10	0.08	0.10	0.17	0.14	0.29	0.06	0.19	0.29	0.14	0.68	0.15	0.22	0.39	NA	0.71	0.11	0.59	0.42	0.62	
St	0.38	0.06	0.15	0.09	NA	0.15	0.11	0.36	NA	0.27	0.47	0.05	0.62	NA	0.07	0.30	0.71	NA	0.11	0.57	0.56	0.47	
Cs	0.20	0.42	0.31	0.35	0.28	0.30	0.39	0.29	0.45	0.20	0.19	0.35	0.15	0.44	0.35	0.11	0.11	0.11	NA	0.02	0.24	0.14	
Ho	0.33	NA	0.05	NA	0.01	0.16	0.04	0.45	NA	0.39	0.43	0.27	0.74	0.09	0.16	0.36	0.59	0.57	0.02	NA	0.42	0.52	
Py	0.29	0.08	0.14	0.13	0.09	0.15	0.14	0.30	0.06	0.31	0.51	0.11	0.40	0.09	0.21	0.25	0.42	0.56	0.24	0.42	NA	0.30	
Po	0.27	0.21	0.15	0.15	0.08	0.27	0.18	0.30	0.12	0.21	0.20	0.59	0.18	0.21	0.40	0.62	0.47	0.14	0.52	0.30	0.30	NA	

Correlation of Kanto gut contents metabolic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Pj	Pm	Bs	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	Cs	Ho	Py	Po
C spp.	NA	0.15	0.15	0.14	0.31	0.26	0.20	0.22	0.15	0.13	0.19	0.16	0.10	0.15	0.19	0.25	0.19	0.10	0.23	0.17	0.16	0.30
Sm	0.15	NA	0.52	0.30	0.28	0.20	0.11	NA	0.63	NA	0.28	0.16	0.07	0.49	0.65	0.25	0.09	0.01	0.17	0.06	0.29	0.12
Ej	0.15	0.52	NA	0.41	0.13	0.10	0.07	0.14	0.77	0.21	0.17	NA	0.01	0.38	0.33	0.28	0.03	NA	0.16	0.08	0.13	0.17
Th	0.14	0.30	0.41	NA	0.24	0.42	0.23	0.40	0.33	0.31	0.27	0.21	0.06	0.35	0.13	0.37	0.13	0.18	0.27	0.25	0.33	0.28
Tb	0.31	0.28	0.13	0.24	NA	NA	0.05	NA	0.24	0.31	0.03	0.19	NA	0.21	0.36	0.12	0.29	0.22	0.16	0.29	0.25	0.31
Pj	0.26	0.20	0.10	0.42	NA	NA	0.45	0.60	0.12	0.13	0.34	0.18	0.37	0.09	0.12	0.14	0.08	NA	0.30	0.41	0.20	0.20
Pm	0.20	0.11	0.07	0.23	0.05	0.45	NA	0.29	0.10	0.12	0.50	0.31	0.35	0.18	0.04	0.34	0.27	0.17	0.15	0.26	0.23	0.18
Bs	0.22	NA	0.14	0.40	NA	0.60	0.29	NA	0.13	0.13	0.20	0.17	0.45	NA	NA	NA	0.12	0.19	0.40	0.32	0.36	0.12
Sj	0.15	0.63	0.77	0.33	0.24	0.12	0.10	0.13	NA	0.10	0.15	NA	0.04	0.39	0.48	0.23	0.11	0.03	0.15	NA	0.12	0.18
Af	0.13	NA	0.21	0.31	0.31	0.13	0.12	0.13	NA	0.13	0.35	0.08	0.16	NA	0.04	0.22	0.23	0.20	0.22	0.21	0.12	
R spp.	0.19	0.28	0.17	0.27	0.03	0.34	0.50	0.20	0.15	0.13	NA	0.33	0.36	0.32	0.12	0.40	0.33	0.26	0.23	0.18	0.25	0.11
Lj	0.16	0.16	NA	0.21	0.19	0.18	0.31	0.17	NA	0.35	0.33	NA	0.42	0.16	0.02	0.15	0.33	0.40	0.21	0.30	0.27	0.16
Pa	0.10	0.07	0.01	0.06	NA	0.37	0.35	0.45	0.04	0.08	0.36	0.42	NA	0.04	0.02	0.16	0.35	0.33	0.29	0.22	0.36	0.29
Tj	0.15	0.49	0.38	0.35	0.21	0.09	0.18	NA	0.39	0.16	0.32	0.16	0.04	NA	0.32	0.14	0.11	0.04	0.26	NA	0.26	0.03
Sq	0.19	0.65	0.33	0.13	0.36	0.12	0.04	NA	0.48	NA	0.12	0.02	0.02	0.32	NA	0.30	0.11	NA	0.13	NA	0.31	0.23
P sp.	0.25	0.25	0.28	0.37	0.12	0.14	0.34	NA	0.23	0.04	0.40	0.15	0.16	0.14	0.30	NA	0.27	0.12	0.17	0.16	0.33	0.29
Sv	0.19	0.09	0.03	0.13	0.29	0.08	0.27	0.12	0.11	0.22	0.33	0.33	0.35	0.11	0.11	0.27	NA	0.35	0.18	0.24	0.34	0.28
St	0.10	0.01	NA	0.18	0.22	NA	0.17	0.19	0.03	0.23	0.26	0.40	0.33	0.04	NA	0.12	0.35	NA	0.20	0.28	0.25	0.18
Cs	0.23	0.17	0.16	0.27	0.16	0.30	0.15	0.40	0.15	0.20	0.23	0.21	0.29	0.26	0.13	0.17	0.18	0.20	NA	0.23	0.20	0.22
Ho	0.17	0.06	0.08	0.25	0.29	0.41	0.26	0.32	NA	0.22	0.18	0.30	0.22	NA	NA	0.16	0.24	0.28	0.23	NA	0.12	0.32
Py	0.16	0.29	0.13	0.33	0.25	0.20	0.23	0.36	0.12	0.21	0.25	0.27	0.36	0.26	0.31	0.33	0.34	0.25	0.20	0.12	NA	0.31
Po	0.30	0.12	0.17	0.28	0.31	0.20	0.18	0.12	0.18	0.12	0.11	0.16	0.29	0.03	0.23	0.29	0.28	0.18	0.22	0.32	0.31	NA

Correlation of Tohoku gut contents metabolic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Gm	Tc	Pm	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	Cs	Ho	Py	Po
C spp.	NA	0.21	0.23	0.46	0.21	0.11	0.01	0.15	0.24	0.06	0.16	0.46	0.15	0.17	0.28	0.32	0.14	0.15	0.19	NA	0.10	0.25
Sm	0.21	NA	0.33	0.26	0.01	NA	NA	0.28	0.55	0.01	0.09	0.26	0.15	0.39	0.78	0.21	0.10	0.06	0.33	0.31	0.17	0.19
Ej	0.23	0.33	NA	0.30	0.30	0.16	0.21	0.23	0.44	0.22	0.27	0.32	0.31	0.24	0.29	0.16	0.22	0.31	0.20	0.18	0.22	0.18
Th	0.46	0.26	0.30	NA	0.14	0.06	0.18	0.15	0.40	0.24	0.16	0.29	0.30	0.19	0.32	0.14	0.22	0.15	0.12	NA	0.24	0.21
Tb	0.21	0.01	0.30	0.14	NA	0.28	0.17	0.35	0.13	0.22	0.45	0.26	0.38	0.15	0.04	0.27	0.20	0.16	0.30	0.24	0.28	0.38
Gm	0.11	NA	0.16	0.06	0.28	NA	0.44	0.29	0.03	0.04	0.20	0.34	0.15	0.08	NA	0.08	0.19	0.15	0.12	0.11	0.20	0.08
Tc	0.01	NA	0.21	0.18	0.17	0.44	NA	0.16	0.12	0.26	0.24	0.30	0.05	0.09	NA	NA	0.23	0.21	0.20	0.25	0.16	0.23
Pm	0.15	0.28	0.23	0.15	0.35	0.29	0.16	NA	0.23	0.21	0.37	0.31	0.25	0.21	0.30	0.37	0.31	0.23	0.29	0.36	0.37	0.04
Sj	0.24	0.55	0.44	0.40	0.13	0.03	0.12	0.23	NA	NA	0.14	0.27	0.21	0.35	0.56	0.16	NA	NA	0.23	0.14	NA	0.18
Af	0.06	0.01	0.22	0.24	0.22	0.04	0.26	0.21	NA	NA	0.33	0.31	0.07	0.10	NA	0.09	0.30	0.32	0.19	0.19	0.31	0.27
R spp.	0.16	0.09	0.27	0.16	0.45	0.20	0.24	0.37	0.14	0.33	NA	0.24	0.34	0.27	0.06	0.31	0.17	0.15	0.30	0.23	0.28	0.15
Lj	0.46	0.26	0.32	0.29	0.26	0.34	0.30	0.31	0.27	0.31	0.24	NA	0.26	0.17	0.25	0.25	0.30	0.17	0.26	0.24	0.53	0.11
Pa	0.15	0.15	0.31	0.30	0.38	0.15	0.05	0.25	0.21	0.07	0.34	0.26	NA	0.17	0.07	0.34	0.28	0.10	0.19	0.09	0.37	0.12
Tj	0.17	0.39	0.24	0.19	0.15	0.08	0.09	0.21	0.35	0.10	0.27	0.17	0.17	NA	0.38	0.21	0.14	0.19	0.30	0.19	0.12	0.10
Sq	0.28	0.78	0.29	0.32	0.04	NA	NA	0.30	0.56	NA	0.06	0.25	0.07	0.38	NA	0.19	0.06	0.05	0.38	0.19	0.10	0.17
P sp.	0.32	0.21	0.16	0.14	0.27	0.08	NA	0.37	0.16	0.09	0.31	0.25	0.34	0.21	0.19	NA	0.19	0.19	0.19	0.32	0.27	0.31
Sv	0.14	0.10	0.22	0.22	0.20	0.19	0.23	0.31	NA	0.30	0.17	0.30	0.28	0.14	0.06	0.19	NA	0.44	0.24	0.27	0.39	0.28
St	0.15	0.06	0.31	0.15	0.16	0.15	0.21	0.23	NA	0.32	0.15	0.17	0.10	0.19	0.05	0.19	0.44	NA	0.22	0.21	0.25	0.29
Cs	0.19	0.33	0.20	0.12	0.30	0.12	0.20	0.29	0.23	0.19	0.30	0.26	0.19	0.30	0.38	0.19	0.24	0.22	NA	0.27	0.20	0.15
Ho	NA	0.31	0.18	NA	0.24	0.11	0.25	0.36	0.14	0.19	0.23	0.24	0.09	0.19	0.19	0.32	0.27	0.21	0.27	NA	0.18	0.21
Py	0.10	0.17	0.22	0.24	0.28	0.20	0.16	0.37	NA	0.31	0.28	0.53	0.37	0.12	0.10	0.27	0.39	0.25	0.20	0.18	NA	0.23
Po	0.25	0.19	0.18	0.21	0.38	0.08	0.23	0.04	0.18	0.27	0.15	0.11	0.12	0.10	0.17	0.31	0.28	0.29	0.15	0.21	0.23	NA

Correlation of Kanto muscle inorganic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Pj	Pm	Bs	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	CS	Ho	Py	Po	
C spp.	NA	0.24	0.12	0.42	0.47	0.39	0.33	0.42	0.32	0.13	0.32	0.62	0.37	0.27	0.22	0.42	0.41	0.35	NA	0.29	0.38	0.40	
	Sm	0.24	NA	0.07	0.09	0.48	0.25	0.16	NA	0.29	0.31	0.42	0.23	0.14	0.51	0.21	0.12	0.14	0.24	0.24	0.26	0.39	0.10
	Ej	0.12	0.07	NA	0.17	0.27	0.13	0.19	0.20	0.32	0.13	0.06	0.14	0.16	0.49	0.29	0.15	0.15	0.16	0.09	0.16	0.08	0.15
	Th	0.42	0.09	0.17	NA	0.44	0.35	0.35	0.39	0.40	0.11	0.15	0.56	0.32	0.14	0.45	0.40	0.43	0.33	NA	0.22	0.37	0.45
	Tb	0.47	0.48	0.27	0.44	NA	0.27	0.29	0.49	0.47	0.34	0.31	0.45	0.45	0.34	0.41	0.56	0.32	0.29	0.43	0.29	0.44	0.47
	Pj	0.39	0.25	0.13	0.35	0.27	NA	0.50	0.39	0.15	0.20	0.18	0.45	0.41	0.19	0.33	0.35	0.47	0.39	0.05	0.13	0.17	0.36
	Pm	0.33	0.16	0.19	0.35	0.29	0.50	NA	0.41	0.29	0.04	0.23	0.23	0.69	0.32	0.34	0.57	0.38	0.43	NA	0.26	0.17	0.51
	Bs	0.42	NA	0.20	0.39	0.49	0.39	0.41	NA	0.63	0.14	0.15	0.26	0.60	0.34	0.62	0.48	0.24	0.44	NA	0.31	0.35	0.75
	Sj	0.32	0.29	0.32	0.40	0.47	0.15	0.29	0.63	NA	0.32	0.40	0.34	0.32	0.27	0.60	0.40	0.22	0.31	0.46	0.39	0.34	0.58
	Af	0.13	0.31	0.13	0.11	0.34	0.20	0.04	0.14	0.32	NA	0.26	0.20	NA	0.21	0.33	0.07	0.21	0.11	0.60	0.35	0.36	0.14
R spp.	R spp.	0.32	0.42	0.06	0.15	0.31	0.18	0.23	0.15	0.40	0.26	NA	0.57	0.27	0.31	0.31	0.26	0.24	0.23	0.36	0.33	0.26	
	Lj	0.62	0.23	0.14	0.56	0.45	0.45	0.23	0.26	0.34	0.20	0.57	NA	0.21	0.43	0.09	0.21	0.62	0.21	0.18	0.11	0.45	0.21
	Pa	0.37	0.14	0.16	0.32	0.45	0.41	0.69	0.60	0.32	NA	0.27	0.21	NA	0.36	0.42	0.77	0.24	0.60	NA	0.26	0.16	0.78
	Tj	0.27	0.51	0.49	0.14	0.34	0.19	0.32	0.34	0.27	0.21	0.31	0.43	0.36	NA	0.41	0.35	0.17	0.30	0.17	0.23	0.45	0.26
	Sq	0.22	0.21	0.29	0.45	0.41	0.33	0.34	0.62	0.60	0.33	0.23	0.09	0.42	0.41	NA	0.44	0.20	0.29	0.70	0.65	0.45	0.64
P spp.	P spp.	0.42	0.12	0.15	0.40	0.56	0.35	0.57	0.48	0.40	0.07	0.31	0.21	0.77	0.35	0.44	NA	0.30	0.59	NA	0.23	0.35	0.78
	Sv	0.41	0.14	0.15	0.43	0.32	0.47	0.38	0.24	0.22	0.21	0.26	0.62	0.24	0.17	0.20	0.30	NA	0.28	0.34	0.24	0.39	0.19
	St	0.35	0.24	0.16	0.33	0.29	0.39	0.43	0.44	0.31	0.11	0.24	0.21	0.60	0.30	0.29	0.59	0.28	NA	NA	0.22	0.20	0.56
	Cs	NA	0.24	0.09	NA	0.43	0.05	NA	NA	0.46	0.60	0.23	0.18	NA	0.17	0.70	NA	0.34	NA	NA	0.56	0.32	NA
	Ho	0.29	0.26	0.16	0.22	0.29	0.13	0.26	0.31	0.39	0.35	0.36	0.11	0.26	0.23	0.65	0.23	0.24	0.22	0.56	NA	0.24	0.34
	Py	0.38	0.39	0.08	0.37	0.44	0.17	0.17	0.35	0.34	0.36	0.33	0.45	0.16	0.45	0.45	0.35	0.39	0.20	0.32	0.24	NA	0.52
	Po	0.40	0.10	0.15	0.45	0.47	0.36	0.51	0.75	0.58	0.14	0.26	0.21	0.78	0.26	0.64	0.78	0.19	0.56	NA	0.34	0.52	NA

Correlation of Tohoku muscle inorganic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Gm	Tc	Pm	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	CS	Ho	Py	Po	
C spp.	NA	0.10	0.15	0.47	0.55	0.14	0.28	0.26	0.11	0.23	0.23	0.21	0.31	0.15	0.15	0.36	0.27	0.49	0.15	0.20	0.25	0.21	
	Sm	0.10	NA	0.18	0.11	NA	0.38	0.23	0.20	0.51	0.44	0.41	0.54	0.20	0.05	0.13	0.44	0.13	0.16	0.45	0.18	0.27	0.42
	Ej	0.15	0.18	NA	0.22	0.18	0.49	0.24	0.14	0.34	0.15	0.07	0.12	0.17	0.13	0.12	0.13	0.18	0.14	0.36	0.11	0.14	0.19
	Th	0.47	0.11	0.22	NA	0.75	0.54	0.26	0.36	0.27	0.23	0.29	0.32	0.23	0.21	0.59	0.47	0.35	0.11	0.43	0.33	0.18	
	Tb	0.55	NA	0.18	0.75	NA	NA	0.31	0.48	0.28	0.17	0.13	0.34	0.20	0.19	0.10	0.76	0.47	0.26	NA	0.32	0.27	NA
	Gm	0.14	0.38	0.49	0.54	NA	NA	0.36	0.20	0.33	0.40	0.23	0.17	0.11	0.28	0.26	0.36	0.08	0.07	0.43	0.41	0.21	0.15
	Tc	0.28	0.23	0.24	0.26	0.31	0.36	NA	0.16	0.30	0.31	0.28	0.10	0.21	0.16	0.18	0.25	0.28	0.17	0.13	0.27	0.12	0.11
	Pm	0.26	0.20	0.14	0.36	0.48	0.20	0.16	NA	0.31	0.33	0.23	0.29	0.26	0.24	0.11	0.33	0.37	0.25	0.21	0.32	0.34	0.11
	Sj	0.11	0.51	0.34	0.27	0.28	0.33	0.30	0.31	NA	0.44	0.39	0.22	0.27	0.36	0.20	0.28	0.21	0.19	0.34	0.29	0.21	0.27
	Af	0.23	0.44	0.15	0.23	0.17	0.40	0.31	0.33	0.44	NA	0.39	0.33	0.20	0.20	0.25	0.30	0.28	0.12	0.37	0.42	0.31	0.32
R spp.	R spp.	0.23	0.41	0.07	0.29	0.13	0.23	0.28	0.23	0.39	0.39	NA	0.29	0.21	0.36	0.33	0.31	0.25	0.21	0.41	0.26	0.41	
	Lj	0.21	0.54	0.12	0.32	0.34	0.17	0.10	0.29	0.22	0.33	0.29	NA	0.37	0.38	0.38	0.34	0.38	0.35	0.40	0.16	0.32	0.37
	Pa	0.31	0.20	0.17	0.23	0.20	0.11	0.21	0.26	0.27	0.20	0.21	0.37	NA	0.49	0.35	0.31	0.37	0.39	0.38	0.22	0.25	0.46
	Tj	0.15	0.05	0.13	0.34	0.19	0.28	0.16	0.24	0.36	0.20	0.36	0.38	0.49	NA	0.64	0.40	0.34	0.29	0.19	0.43	0.41	0.67
	Sq	0.15	0.13	0.12	0.21	0.10	0.26	0.18	0.11	0.20	0.25	0.33	0.38	0.35	0.64	NA	0.40	0.29	0.26	0.28	0.28	0.38	0.54
	P sp.	0.36	0.44	0.13	0.59	0.76	0.36	0.25	0.33	0.28	0.30	0.31	0.34	0.31	0.40	0.40	NA	0.53	0.41	0.38	0.37	0.30	0.41
	Sv	0.27	0.13	0.18	0.47	0.47	0.08	0.28	0.37	0.21	0.28	0.25	0.38	0.37	0.34	0.29	0.53	NA	0.46	0.11	0.26	0.29	0.28
P spp.	St	0.49	0.16	0.14	0.35	0.26	0.07	0.17	0.25	0.19	0.12	0.21	0.35	0.39	0.29	0.26	0.41	0.46	NA	0.22	0.19	0.29	0.36
	Cs	0.15	0.45	0.36	0.11	NA	0.43	0.13	0.21	0.34	0.37	0.37	0.40	0.38	0.19	0.28	0.38	0.11	0.22	NA	0.19	0.31	0.65
	Ho	0.20	0.18	0.11	0.43	0.32	0.41	0.27	0.32	0.29	0.42	0.41	0.16	0.22	0.43	0.28	0.37	0.26	0.19	0.19	NA	0.26	0.24
	Py	0.25	0.27	0.14	0.33	0.27	0.21	0.12	0.34	0.21	0.31	0.26	0.32	0.25	0.41	0.38	0.30	0.29	0.31	0.26	NA	0.44	
	Po	0.21	0.42	0.19	0.18	NA	0.15	0.11	0.11	0.27	0.32	0.41	0.37	0.46	0.67	0.54	0.41	0.28	0.36	0.65	0.24	0.44	NA

Correlation of Kanto gut contents inorganic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Pj	Pm	Bs	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	Cs	Ho	Py	Po
C spp.	NA	0.62	0.19	0.41	0.31	0.37	0.19	0.74	0.38	0.10	0.11	0.11	0.24	0.44	0.59	0.29	0.34	0.83	0.78	0.04	0.37	0.62
Sm	0.62	NA	0.42	0.20	0.30	0.60	0.44	0.51	0.67	0.05	0.05	0.22	0.44	0.73	0.83	0.41	0.37	0.73	0.66	0.02	0.64	0.72
Ej	0.19	0.42	NA	0.29	0.29	0.44	0.43	0.29	0.65	0.16	0.27	0.36	0.35	0.39	0.37	0.58	0.46	0.27	0.31	0.15	0.27	0.34
Th	0.41	0.20	0.29	NA	0.46	0.24	0.45	0.75	0.28	0.52	0.39	0.29	0.37	0.23	0.13	0.39	0.38	0.48	0.60	0.39	0.43	0.22
Tb	0.31	0.30	0.29	0.46	NA	0.50	0.57	0.26	0.24	0.47	0.74	0.31	0.28	0.20	0.28	0.07	0.56	0.35	0.41	0.46	0.46	0.24
Pj	0.37	0.60	0.44	0.24	0.50	NA	0.48	0.26	0.34	0.30	0.43	0.31	0.28	0.45	0.52	0.23	0.31	0.37	0.32	0.44	0.18	0.38
Pm	0.19	0.44	0.43	0.45	0.57	0.48	NA	0.34	0.44	0.29	0.44	0.42	0.36	0.27	0.54	0.48	0.55	0.29	0.32	0.63	0.30	0.49
Bs	0.74	0.51	0.29	0.75	0.26	0.26	0.34	NA	0.43	0.06	0.24	0.09	0.36	0.38	0.49	0.46	0.32	0.83	0.87	0.18	0.29	0.52
Sj	0.38	0.67	0.65	0.28	0.24	0.34	0.44	0.43	NA	0.19	0.21	0.24	0.32	0.57	0.63	0.52	0.39	0.49	0.49	0.21	0.37	0.56
Af	0.10	0.05	0.16	0.52	0.47	0.30	0.29	0.06	0.19	NA	0.54	0.28	0.13	0.08	NA	NA	0.41	0.09	0.13	0.34	0.33	0.12
R spp.	0.11	0.05	0.27	0.39	0.74	0.43	0.44	0.24	0.21	0.54	NA	0.40	0.34	NA	NA	0.26	0.59	0.17	0.25	0.48	0.41	0.02
Lj	0.11	0.22	0.36	0.29	0.31	0.31	0.42	0.09	0.24	0.28	0.40	NA	0.56	0.27	0.23	0.41	0.45	0.23	0.16	0.34	0.44	0.28
Pa	0.24	0.44	0.35	0.37	0.28	0.28	0.36	0.36	0.32	0.13	0.34	0.56	NA	0.29	0.54	0.54	0.52	0.36	0.36	0.35	0.51	0.39
Tj	0.44	0.73	0.39	0.23	0.20	0.45	0.27	0.38	0.57	0.08	NA	0.27	0.29	NA	0.54	0.35	0.34	0.51	0.49	0.04	0.31	0.42
Sq	0.59	0.83	0.37	0.13	0.28	0.52	0.54	0.49	0.63	NA	NA	0.23	0.54	0.54	NA	0.57	0.45	0.68	0.63	NA	0.66	0.82
P sp.	0.29	0.41	0.58	0.39	0.07	0.23	0.48	0.46	0.52	NA	0.26	0.41	0.54	0.35	0.57	NA	0.72	0.45	0.57	0.07	0.38	0.56
Sv	0.34	0.37	0.46	0.38	0.56	0.31	0.55	0.32	0.39	0.41	0.59	0.45	0.52	0.34	0.45	0.72	NA	0.32	0.39	0.55	0.43	0.57
St	0.83	0.73	0.27	0.48	0.35	0.37	0.29	0.83	0.49	0.09	0.17	0.23	0.36	0.51	0.68	0.45	0.32	NA	0.86	0.12	0.55	0.67
Cs	0.78	0.66	0.31	0.60	0.41	0.32	0.32	0.87	0.49	0.13	0.25	0.16	0.36	0.49	0.63	0.57	0.39	0.86	NA	0.21	0.42	0.61
Ho	0.04	0.02	0.15	0.39	0.46	0.44	0.63	0.18	0.21	0.34	0.48	0.34	0.35	0.04	NA	0.07	0.55	0.12	0.21	NA	0.32	NA
Py	0.37	0.64	0.27	0.43	0.46	0.18	0.30	0.29	0.37	0.33	0.41	0.44	0.51	0.31	0.66	0.38	0.43	0.55	0.42	0.32	NA	0.42
Po	0.62	0.72	0.34	0.22	0.24	0.38	0.49	0.52	0.56	0.12	0.02	0.28	0.39	0.42	0.82	0.56	0.57	0.67	0.61	NA	0.42	NA

Correlation of Tohoku gut contents inorganic profile

	C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Gm	Tc	Pm	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	Cs	Ho	Py	Po
C spp.	NA	0.80	0.35	0.40	0.38	0.33	0.40	0.32	0.40	0.42	0.54	0.54	0.30	0.88	0.92	0.20	0.23	0.68	0.37	0.37	0.18	0.39
Sm	0.80	NA	0.24	0.36	0.60	0.30	0.44	0.23	0.49	0.16	NA	0.55	0.18	0.78	0.79	0.18	0.34	0.57	0.25	0.30	0.09	0.44
Ej	0.35	0.24	NA	0.45	0.13	0.48	0.46	0.28	0.47	0.16	0.40	0.41	0.38	0.24	0.19	0.29	0.36	0.17	0.36	0.34	0.23	0.43
Th	0.40	0.36	0.45	NA	0.36	0.36	0.32	0.22	0.36	0.11	0.35	0.43	0.42	0.41	0.39	0.40	0.45	0.35	0.23	0.25	0.30	0.48
Tb	0.38	0.60	0.13	0.36	NA	0.24	0.32	0.30	0.28	0.11	0.29	0.40	0.28	0.59	0.59	0.29	0.21	0.38	0.12	0.20	0.48	0.41
Gm	0.33	0.30	0.48	0.36	0.24	NA	0.58	0.44	0.45	0.26	0.47	0.29	0.32	0.42	0.26	0.20	0.24	0.34	0.40	0.46	0.22	0.34
Tc	0.40	0.44	0.46	0.32	0.32	0.58	NA	0.40	0.46	0.23	0.46	0.31	0.36	0.36	0.45	0.33	0.23	0.25	0.38	0.39	0.24	0.43
Pm	0.32	0.23	0.28	0.22	0.30	0.44	0.40	NA	0.33	0.36	0.41	0.32	0.34	0.20	0.20	0.33	0.30	0.15	0.29	0.45	0.36	0.40
Sj	0.40	0.49	0.47	0.36	0.28	0.45	0.46	0.33	NA	0.16	0.29	0.37	0.44	0.41	0.37	0.32	0.43	0.35	0.30	0.28	0.27	0.45
Af	0.42	0.16	0.16	0.11	0.11	0.26	0.23	0.36	0.16	NA	0.39	0.11	0.17	0.01	0.08	0.06	NA	0.07	0.17	0.32	0.19	NA
R spp.	0.54	NA	0.40	0.35	0.29	0.47	0.46	0.41	0.29	0.39	NA	0.32	0.42	NA	NA	0.25	0.15	NA	0.40	0.48	0.28	0.19
Lj	0.54	0.55	0.41	0.43	0.40	0.29	0.31	0.32	0.37	0.11	0.32	NA	0.44	0.73	0.78	0.47	0.45	0.54	0.22	0.34	0.42	0.46
Pa	0.30	0.18	0.38	0.42	0.28	0.32	0.36	0.34	0.44	0.17	0.42	0.44	NA	0.14	NA	0.53	0.60	NA	0.35	0.29	0.36	0.46
Tj	0.88	0.78	0.24	0.41	0.59	0.42	0.36	0.20	0.41	0.01	NA	0.73	0.14	NA	0.90	0.16	0.37	0.76	0.32	0.20	0.10	0.49
Sq	0.92	0.79	0.19	0.39	0.59	0.26	0.45	0.20	0.37	0.08	NA	0.78	NA	0.90	NA	0.01	0.29	0.76	0.46	0.26	0.03	0.53
P sp.	0.20	0.18	0.29	0.40	0.29	0.20	0.33	0.33	0.32	0.06	0.25	0.47	0.53	0.16	0.01	NA	0.61	0.07	0.23	0.24	0.48	0.48
Sv	0.23	0.34	0.36	0.45	0.21	0.24	0.23	0.30	0.43	NA	0.15	0.45	0.60	0.37	0.29	0.61	0.07	0.28	0.28	0.14	0.34	0.58
St	0.68	0.57	0.17	0.35	0.38	0.34	0.25	0.15	0.35	0.07	NA	0.54	NA	0.76	0.76	0.07	0.28	NA	0.36	0.13	0.30	0.45
Cs	0.37	0.25	0.36	0.23	0.12	0.40	0.38	0.29	0.30	0.17	0.40	0.22	0.35	0.32	0.46	0.23	0.34	0.36	NA	0.42	0.28	0.34
Ho	0.37	0.30	0.34	0.25	0.20	0.46	0.39	0.45	0.28	0.32	0.48	0.34	0.29	0.20	0.26	0.24	0.14	0.13	0.42	NA	0.21	0.29
Py	0.18	0.09	0.23	0.30	0.48	0.22	0.24	0.36	0.27	0.19	0.28	0.42	0.36	0.10	0.03	0.48	0.34	0.30	0.28	0.21	NA	0.26
Po	0.39	0.44	0.43	0.48	0.41	0.34	0.43	0.40	0.45	NA	0.19	0.46	0.46	0.49	0.53	0.48	0.58	0.45	0.34	0.29	0.26	NA

Correlation of Kanto gut microbiome profile

C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Pj	Pm	Bs	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	Cs	Ho	Py	Po	
C spp.	NA	0.30	0.52	0.36	0.08	0.32	0.29	0.51	0.38	0.48	0.47	0.30	0.38	0.53	0.36	0.26	0.37	0.39	0.41	0.34	0.55	0.43
Sm	0.30	NA	0.20	0.42	0.34	0.05	0.22	0.20	0.12	0.02	0.06	0.16	0.35	0.34	0.22	0.03	0.10	0.22	0.01	0.22	0.20	0.35
Ej	0.52	0.20	NA	0.46	0.22	0.37	0.54	0.62	0.47	0.59	0.49	0.34	0.53	0.64	0.43	0.47	0.43	0.52	0.47	0.46	0.69	0.61
Th	0.36	0.42	0.46	NA	0.16	0.29	0.46	0.52	0.36	0.46	0.48	0.22	0.46	0.41	0.38	0.45	0.32	0.34	0.44	0.38	0.49	0.46
Tb	0.08	0.34	0.22	0.16	NA	0.11	0.17	0.03	0.20	0.06	0.14	0.38	0.21	0.11	0.26	0.23	0.36	0.28	0.01	0.17	0.03	0.20
Pj	0.32	0.05	0.37	0.29	0.11	NA	0.31	0.34	0.35	0.37	0.32	0.25	0.23	0.35	0.25	0.20	0.29	0.40	0.32	0.31	0.37	0.32
Pm	0.29	0.22	0.54	0.46	0.17	0.31	NA	0.42	0.50	0.36	0.35	0.32	0.43	0.39	0.42	0.52	0.44	0.37	0.48	0.40	0.45	0.40
Bs	0.51	0.20	0.62	0.52	0.03	0.34	0.42	NA	0.43	0.53	0.46	0.41	0.62	0.54	0.53	0.59	0.38	0.42	0.51	0.41	0.53	0.47
Sj	0.38	0.12	0.47	0.36	0.20	0.35	0.50	0.43	NA	0.37	0.39	0.32	0.44	0.45	0.44	0.45	0.45	0.32	0.45	0.38	0.45	0.33
Af	0.48	0.02	0.59	0.46	0.06	0.37	0.36	0.53	0.37	NA	0.52	0.34	0.47	0.55	0.38	0.45	0.35	0.45	0.42	0.36	0.62	0.44
R spp.	0.47	0.06	0.49	0.48	0.14	0.32	0.35	0.46	0.39	0.52	NA	0.34	0.51	0.51	0.42	0.35	0.30	0.43	0.41	0.33	0.52	0.44
Lj	0.30	0.16	0.34	0.22	0.38	0.25	0.32	0.41	0.32	0.34	0.34	NA	0.30	0.26	0.25	0.24	0.41	0.25	0.29	0.36	0.40	0.32
Pa	0.38	0.35	0.53	0.46	0.21	0.23	0.43	0.62	0.44	0.47	0.51	0.30	NA	0.48	0.39	0.50	0.31	0.43	0.42	0.28	0.49	0.46
Tj	0.53	0.34	0.64	0.41	0.11	0.35	0.39	0.54	0.45	0.55	0.51	0.26	0.48	NA	0.42	0.48	0.29	0.48	0.41	0.33	0.59	0.42
Sq	0.36	0.22	0.43	0.38	0.26	0.25	0.42	0.53	0.44	0.38	0.42	0.25	0.39	0.42	NA	0.47	0.40	0.35	0.43	0.36	0.43	0.43
P sp.	0.26	0.03	0.47	0.45	0.23	0.20	0.52	0.59	0.45	0.45	0.35	0.24	0.50	0.48	0.47	NA	0.29	0.51	0.47	0.50	0.45	0.46
Sv	0.37	0.10	0.43	0.32	0.36	0.29	0.44	0.38	0.45	0.35	0.30	0.41	0.31	0.29	0.40	0.29	NA	0.30	0.42	0.38	0.43	0.30
St	0.39	0.22	0.52	0.34	0.28	0.40	0.37	0.42	0.32	0.45	0.43	0.25	0.43	0.48	0.35	0.51	0.30	NA	0.36	0.35	0.51	0.27
Cs	0.41	0.01	0.47	0.44	0.01	0.32	0.48	0.51	0.45	0.42	0.41	0.29	0.42	0.41	0.43	0.47	0.42	0.36	NA	0.38	0.52	0.38
Ho	0.34	0.22	0.46	0.38	0.17	0.31	0.40	0.41	0.38	0.36	0.33	0.36	0.28	0.33	0.36	0.50	0.38	0.35	0.38	NA	0.43	0.44
Py	0.55	0.20	0.69	0.49	0.03	0.37	0.45	0.53	0.45	0.62	0.52	0.40	0.49	0.59	0.43	0.45	0.43	0.51	0.52	0.43	NA	0.48
Po	0.43	0.35	0.61	0.46	0.20	0.32	0.40	0.47	0.33	0.44	0.44	0.32	0.46	0.42	0.43	0.46	0.30	0.27	0.38	0.44	0.48	NA

Correlation of Tohoku gut microbiome profile

C spp.	Sm	Ej	Th	Tb	Gm	Tc	Pm	Sj	Af	R spp.	Lj	Pa	Tj	Sq	P sp.	Sv	St	Cs	Ho	Py	Po	
C spp.	NA	0.08	0.36	0.36	0.30	0.52	0.41	0.43	0.45	0.43	0.33	0.40	0.30	0.49	0.40	0.35	0.29	0.45	0.40	0.29	0.41	0.39
Sm	0.08	NA	0.19	0.42	0.39	0.38	0.12	0.28	0.05	0.28	0.35	0.38	0.26	0.31	0.23	0.17	0.18	0.37	0.29	0.08	0.39	0.32
Ej	0.36	0.19	NA	0.41	0.31	0.39	0.44	0.40	0.44	0.30	0.21	0.24	0.39	0.39	0.43	0.35	0.29	0.36	0.43	0.35	0.41	0.41
Th	0.36	0.42	0.41	NA	0.25	0.45	0.40	0.34	0.45	0.36	0.37	0.30	0.30	0.44	0.36	0.29	0.25	0.40	0.39	0.41	0.38	0.38
Tb	0.30	0.39	0.31	0.25	NA	0.38	0.19	0.39	0.01	0.29	0.25	0.33	0.38	0.10	0.34	0.07	0.38	0.11	0.21	0.38	0.01	0.20
Gm	0.52	0.38	0.39	0.45	0.38	NA	0.53	0.42	0.49	0.43	0.42	0.44	0.39	0.55	0.60	0.39	0.30	0.55	0.40	0.40	0.49	0.53
Tc	0.41	0.12	0.44	0.40	0.19	0.53	NA	0.38	0.45	0.36	0.40	0.44	0.35	0.51	0.50	0.36	0.22	0.50	0.39	0.40	0.39	0.48
Pm	0.43	0.28	0.40	0.34	0.39	0.42	0.38	NA	0.43	0.33	0.19	0.32	0.34	0.42	0.40	0.35	0.19	0.35	0.40	0.29	0.45	0.44
Sj	0.45	0.05	0.44	0.45	0.01	0.49	0.45	0.43	NA	0.39	0.35	0.44	0.43	0.53	0.48	0.40	0.27	0.35	0.39	0.33	0.43	0.49
Af	0.43	0.28	0.30	0.36	0.29	0.43	0.36	0.33	0.39	NA	0.39	0.41	0.29	0.36	0.38	0.22	0.31	0.36	0.40	0.40	0.31	0.38
R spp.	0.33	0.35	0.21	0.37	0.25	0.42	0.40	0.19	0.35	0.39	NA	0.34	0.13	0.38	0.36	0.09	0.29	0.38	0.25	0.52	0.26	0.27
Lj	0.40	0.38	0.24	0.30	0.33	0.44	0.44	0.32	0.44	0.41	0.34	NA	0.36	0.41	0.41	0.27	0.18	0.43	0.33	0.52	0.38	0.40
Pa	0.30	0.26	0.39	0.30	0.38	0.39	0.35	0.34	0.43	0.29	0.13	0.36	NA	0.35	0.36	0.53	0.21	0.35	0.32	0.22	0.27	0.30
Tj	0.49	0.31	0.39	0.44	0.10	0.55	0.51	0.42	0.53	0.36	0.38	0.41	0.35	NA	0.53	0.39	0.28	0.43	0.41	0.30	0.43	0.47
Sq	0.40	0.23	0.43	0.36	0.34	0.60	0.50	0.40	0.48	0.38	0.36	0.41	0.36	0.53	NA	0.40	0.28	0.44	0.47	0.39	0.35	0.45
P sp.	0.35	0.17	0.35	0.29	0.07	0.39	0.36	0.35	0.40	0.22	0.09	0.27	0.53	0.39	0.40	NA	0.13	0.46	0.39	0.12	0.34	0.44
Sv	0.29	0.18	0.29	0.25	0.38	0.30	0.22	0.19	0.27	0.31	0.29	0.18	0.21	0.28	0.28	0.13	NA	0.41	0.25	0.40	0.27	0.27
St	0.45	0.37	0.36	0.40	0.11	0.55	0.50	0.35	0.35	0.36	0.38	0.43	0.35	0.43	0.44	0.46	0.41	NA	0.34	0.48	0.37	0.45
Cs	0.40	0.29	0.43	0.39	0.21	0.40	0.39	0.40	0.39	0.40	0.25	0.33	0.32	0.41	0.47	0.39	0.25	0.34	NA	0.28	0.36	0.39
Ho	0.29	0.08	0.35	0.41	0.38	0.40	0.40	0.29	0.33	0.40	0.52	0.52	0.22	0.30	0.39	0.12	0.40	0.48	0.28	NA	0.30	0.34
Py	0.41	0.39	0.41	0.38	0.01	0.49	0.39	0.45	0.43	0.31	0.26	0.38	0.27	0.43	0.35	0.34	0.27	0.37	0.36	0.30	NA	0.38
Po	0.39	0.32	0.41	0.38	0.20	0.53	0.48	0.44	0.49	0.38	0.27	0.40	0.30	0.47	0.45	0.44	0.27	0.45	0.39	0.34	0.38	NA