

Fig.1A

PCAT1	
Normal	MM
1.02	1.06
1.06	0.99
1.12	0.87
1.25	0.86
1.23	0.99
1.34	0.94
1.06	1.02
0.95	1.03
0.88	1.12
0.76	1.23
1.12	1.24
1.16	1.16
1.32	1.35
1.42	1.46
1.55	1.48
0.89	1.85
0.91	1.95
0.96	1.69
1.05	1.77
1.09	1.79
0.68	1.99
0.84	2.15
	2.06
	2.35
	2.34
	2.45
	2.89
	3.06
	3.08
	2.48
	2.16
	1.85
	3.22
	1.97
	2.28
	2.65

Fig. 1B

Normal	MM
0.95	1.86
0.92	1.59
0.77	1.54
0.88	1.23
0.84	1.35
0.86	1.45
0.69	1.52
0.95	1.56
0.99	1.67
1.06	1.78
1.03	1.85
1.25	1.69
1.36	2.74
1.56	2.59
1.46	3.06
1.58	2.98
1.78	2.84
1.95	2.76
2.03	2.65
1.44	2.26
1.06	2.15
1.21	2.65
	4.06
	3.69
	3.25
	2.77
	2.71
	2.73
	2.65
	2.65
	4.58
	4.35
	5.26
	5.06
	4.58
	4.35

Fig. 1C

PCAT1	MTDH
1.06	1.86
0.99	1.59
0.87	1.54
0.86	1.23
0.99	1.35
0.94	1.45
1.02	1.52
1.03	1.56
1.12	1.67
1.23	1.78
1.24	1.85
1.16	1.69
1.35	2.74
1.46	2.59
1.48	3.06
1.85	2.98
1.95	2.84
1.69	2.76
1.77	2.65
1.79	2.26
1.99	2.15
2.15	2.65
2.06	4.06
2.35	3.69
2.34	3.25
2.45	2.77
2.89	2.71
3.06	2.73
3.08	2.65
2.48	2.65
2.16	4.58
1.85	4.35
3.22	5.26
1.97	5.06
2.28	4.58
2.65	4.35

Fig.1D

Months elapsed	PCAT1	
	Low expression	High expression
60	0	
60	0	
60	0	
60	0	
42	1	
60	0	
20	1	
16	1	
60	0	
60	0	
32	1	
60	0	
12	1	
60	0	
8	1	
60		0
60		0
60	0	
22	1	
24	1	
60		0
60		0
6		1
6		1
6		1
8		1
14		1
20		1
24		1
25		1
26		1
33		1
36		1
12		1
12		1
12		1

Fig.1E

Months elapsed	MTDH	
	Low expression	High expression
60	0	
60	0	
60	0	
60	0	
42	1	
60	0	
20	1	
16	1	
60	0	
60	0	
32	1	
60	0	
12		1
60	0	
8		1
60		0
60		0
60		0
22		1
24	1	
60	0	
60		0
6		1
6		1
6		1
8		1
14		1
20		1
24		1
25		1
26		1
33		1
36		1
12		1
12		1
12		1

Fig.2A

Fig.2B

PCAT1	sh-NC			sh-PCAT1		
OPM2	1.06	1.09	0.84	0.27	0.24	0.33
U266B1	0.95	0.96	1.09	0.32	0.28	0.24

Fig.2C

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1		
24h	0.32	0.29	0.35	0.26	0.27	0.24
48h	0.58	0.52	0.51	0.38	0.42	0.3
72h	0.89	0.84	0.8	0.5	0.54	0.48

Fig.2D

U266B1	sh-NC			sh-PCAT1		
24h	0.42	0.4	0.39	0.32	0.3	0.35
48h	0.64	0.61	0.53	0.43	0.46	0.39
72h	0.98	0.92	0.89	0.58	0.66	0.52

Fig.2E

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1		
G1	52	54	50.2	62	63	67
S	38	34.5	30.5	22.3	26.4	24.4

Fig.2F

U266B1	sh-NC			sh-PCAT1		
G1	50	56.9	48.6	58.5	62.5	65.4
S	35.6	32.6	37.4	26.5	23.5	20.3

Fig.2G

	sh-NC			sh-PCAT1		
OPM2	6.8	5.9	6.3	23.6	18.5	17.6
U266B1	5.2	5.6	7.2	20.6	15.6	19.8

Fig.2H

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1		
CyclinD1	1.06	1.03	0.91	0.48	0.52	0.46
c-Myc	1.08	1.09	0.83	0.38	0.42	0.46
Bcl-2	0.94	0.92	1.04	0.51	0.52	0.56
Bax	0.97	0.96	1.07	1.85	1.95	2.15

Fig.2I

U266B1	sh-NC			sh-PCAT1		
CyclinD1	0.96	1.03	1.01	0.48	0.42	0.46
c-Myc	0.98	1.09	0.93	0.52	0.54	0.56
Bcl-2	1.04	0.92	0.94	0.61	0.52	0.63
Bax	1.07	0.96	0.97	2.12	2.35	2.26

Fig.3A

Fig.3B

MTDH	sh-NC			sh-MTDH		
OPM2	0.96	0.98	1.06	0.36	0.42	0.29
U266B1	1.05	1.06	0.89	0.45	0.39	0.32

Fig.3C

OPM2	sh-NC			sh-MTDH		
24h	0.26	0.28	0.32	0.25	0.22	0.23
48h	0.52	0.46	0.51	0.42	0.45	0.4
72h	0.91	0.94	0.84	0.61	0.64	0.52

Fig.3D

U266B1	sh-NC			sh-MTDH		
24h	0.34	0.33	0.39	0.28	0.26	0.33
48h	0.54	0.61	0.5	0.43	0.4	0.39
72h	0.84	0.82	0.99	0.54	0.6	0.52

Fig.3E

OPM2	sh-NC			sh-MTDH		
G1	48	54	50	64	60	63
S	32	30	35.6	20.3	19.6	22.5

Fig.3F

U266B1	sh-NC			sh-MTDH		
G1	46	50	58	59	66	69
S	34	28	22	25	16	17

Fig.3G

	sh-NC			sh-MTDH		
OPM2	5.8	4.6	6.1	24.6	22.3	21.4
U266B1	6.2	6.6	4.5	24.3	25.3	18.3

Fig.3H

OPM2	sh-NC			sh-MTDH		
CyclinD1	1.05	1.03	0.92	0.5	0.52	0.45
c-Myc	1.08	1.05	0.87	0.4	0.42	0.43
Bcl-2	1.04	0.95	1.01	0.51	0.42	0.46
Bax	0.97	0.96	1.07	1.75	1.69	1.51

Fig.3I

U266B1	sh-NC			sh-MTDH		
CyclinD1	0.96	1.03	1.01	0.48	0.51	0.46
c-Myc	1.08	1.09	0.83	0.43	0.44	0.56
Bcl-2	1.04	0.99	0.97	0.51	0.52	0.43
Bax	1.1	0.96	0.94	1.85	1.96	1.77

Fig.4A

MTDH mRNA	sh-NC			sh-PCAT1			pcDNA			PCAT1		
	OPM2	0.99	0.98	1.03	0.46	0.42	0.39	0.98	1.02	1	2.15	2.23
U266B1	1.05	1.04	0.91	0.55	0.4	0.37	1.08	1.04	0.88	2.34	1.95	2.12

Fig.4B

MTDH protein	sh-NC			sh-PCAT1			pcDNA			PCAT1		
	OPM2	1.05	0.98	0.87	0.56	0.52	0.59	0.92	0.98	1.1	1.5	1.63
U266B1	0.95	1.06	0.99	0.45	0.49	0.42	1.02	1.06	0.92	1.68	1.75	1.79

Fig.4C

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1			sh-PCAT1+pcDNA			sh-PCAT1+MTDH		
	24h	0.26	0.24	0.3	0.22	0.2	0.21	0.2	0.19	0.21	0.22	0.23
48h	0.54	0.66	0.58	0.34	0.32	0.37	0.3	0.29	0.34	0.39	0.43	0.44
72h	0.93	0.94	0.9	0.54	0.56	0.42	0.5	0.46	0.43	0.75	0.86	0.74

Fig.4D

U266B1	sh-NC			sh-PCAT1			sh-PCAT1+pcDNA			sh-PCAT1+MTDH		
	24h	0.34	0.33	0.29	0.24	0.26	0.29	0.2	0.24	0.22	0.25	0.27
48h	0.54	0.61	0.51	0.4	0.37	0.36	0.39	0.44	0.36	0.45	0.48	0.51
72h	0.99	0.95	0.87	0.51	0.45	0.52	0.52	0.6	0.54	0.85	0.76	0.79

Fig.4E

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1			sh-PCAT1+pcDNA			sh-PCAT1+MTDH		
	G1	46	52	48	62	65	58	60	63	64	50	51
S	37	32	34	22	20	17	16	24	21	35	36	30

Fig.4F

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1			sh-PCAT1+pcDNA			sh-PCAT1+MTDH		
	OPM2	5.5	5.2	5.9	26.5	23.1	20.3	20.3	21.5	25.6	8.5	6.9
U266B1	7.2	6.6	5.5	19.6	25.6	26.3	18.5	19.4	24.6	10.3	11.2	8.8

Fig.4G

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1			sh-PCAT1+pcDNA			sh-PCAT1+MTDH		
	OPM2	5.5	5.2	5.9	26.5	23.1	20.3	20.3	21.5	25.6	8.5	6.9
U266B1	7.2	6.6	5.5	19.6	25.6	26.3	18.5	19.4	24.6	10.3	11.2	8.8

Fig.4H

OPM2	sh-NC			sh-PCAT1			sh-PCAT1+pcDNA			sh-PCAT1+MTDH		
CyclinD1	1.05	1.06	0.89	0.52	0.48	0.55	0.48	0.43	0.59	0.95	0.98	1.03
c-Myc	1.08	1.05	0.87	0.39	0.44	0.45	0.42	0.38	0.49	0.78	0.85	0.91
Bcl-2	0.94	0.95	1.11	0.36	0.34	0.35	0.3	0.38	0.41	0.89	0.92	0.94
Bax	1.05	0.96	0.89	1.95	2.12	2.21	1.89	2.06	2.08	1.21	1.16	1.09

Fig.4I

U266B1	sh-NC			sh-PCAT1			sh-PCAT1+pcDNA			sh-PCAT1+MTDH		
CyclinD1	1.05	0.96	0.99	0.42	0.48	0.45	0.38	0.43	0.49	0.94	0.96	1.03
c-Myc	0.88	1.05	1.07	0.39	0.44	0.35	0.42	0.38	0.39	0.89	0.92	0.99
Bcl-2	0.94	0.95	1.11	0.46	0.54	0.55	0.5	0.48	0.51	1.12	1.06	0.94
Bax	1.09	0.96	0.85	2.21	2.23	2.16	2.08	2.11	2.18	1.31	1.22	1.12

Fig. 5A

miR-363-3p	
Normal	MM
0.95	1.86
0.92	1.59
0.77	1.54
0.88	1.23
0.84	1.35
0.86	1.45
0.69	1.52
0.95	1.56
0.99	1.67
1.06	1.78
1.03	1.85
1.25	1.69
1.36	2.74
1.56	2.59
1.46	3.06
1.58	2.98
1.78	2.84
1.95	2.76
2.03	2.65
1.44	2.26
1.06	2.15
1.21	2.65
	4.06
	3.69
	3.25
	2.77
	2.71
	2.73
	2.65
	2.65
	4.58
	4.35
	5.26
	5.06
	4.58
	4.35

Fig. 5B

nPCs		OPM2			U266B1			
1.06	0.92	0.92	0.55	0.51	0.43	0.46	0.45	0.41

Fig. 5C

miR-363-3p	PCAT1
0.68	1.06
0.62	0.99
0.53	0.87
0.58	0.86
0.54	0.99
0.52	0.94
0.53	1.02
0.59	1.03
0.66	1.12
0.48	1.23
0.49	1.24
0.43	1.16
0.45	1.35
0.46	1.46
0.39	1.48
0.35	1.85
0.48	1.95
0.32	1.69
0.36	1.77
0.29	1.79
0.28	1.99
0.45	2.15
0.39	2.06
0.31	2.35
0.37	2.34
0.27	2.45
0.28	2.89
0.41	3.06
0.61	3.08
0.31	2.48
0.22	2.16
0.19	1.85
0.23	3.22
0.43	1.97
0.32	2.28
0.26	2.65

Fig. 5D

miR-363-3p	MTDH
0.68	1.86
0.62	1.59
0.53	1.54
0.58	1.23
0.54	1.35
0.52	1.45
0.53	1.52
0.59	1.56
0.66	1.67
0.48	1.78
0.49	1.85
0.43	1.69
0.45	2.74
0.46	2.59
0.39	3.06
0.35	2.98
0.48	2.84
0.32	2.76
0.36	2.65
0.29	2.26
0.28	2.15
0.45	2.65
0.39	4.06
0.31	3.69
0.37	3.25
0.27	2.77
0.28	2.71
0.41	2.73
0.61	2.65
0.31	2.65
0.22	4.58
0.19	4.35
0.23	5.26
0.43	5.06
0.32	4.58
0.26	4.35

Fig.5G

OPM2	miR-NC			miR-363-3p		
WT-PCAT1	0.99	1.02	0.99	0.47	0.52	0.51
MUT-PCAT1	1.03	0.97	1	1.05	1.02	0.94

Fig.5H

U266B1	miR-NC			miR-363-3p		
WT-PCAT1	1.1	1.03	0.87	0.43	0.46	0.47
MUT-PCAT1	1.05	1.05	0.9	0.94	0.98	1.03

Fig.5I

OPM2	miR-NC			miR-363-3p		
MTDH 3'UTR-WT	1.09	1.02	0.89	0.51	0.52	0.43
MTDH 3'UTR-MUT	1.08	1.1	0.82	1.05	0.92	1.03

Fig.5J

U266B1	miR-NC			miR-363-3p		
MTDH 3'UTR-WT	0.95	0.95	1.1	0.43	0.4	0.43
MTDH 3'UTR-MUT	1.02	0.96	1.04	1.05	1.06	0.94

Fig.5K

	sh-NC		sh-PCAT1			pcDNA			PCAT1			
OPM2	0.98	1.04	0.98	1.95	1.94	2.03	1.06	1.02	0.92	0.43	0.52	0.39
U266B1	0.93	1.06	1.01	1.99	1.95	2.15	1.01	0.95	0.94	0.46	0.4	0.38

Fig.5L

MTDH mRNA	miR-NC			miR-363-3p			miR-363-3p+pcDNA			miR-363-3p+PCAT1		
OPM2	1.09	1.16	0.75	0.34	0.39	0.36	0.42	0.35	0.41	0.85	0.92	0.94
U266B1	1.12	0.98	0.9	0.42	0.45	0.31	0.39	0.45	0.38	0.88	0.91	0.84

Fig.5M

MTDH protein	miR-NC			miR-363-3p			miR-363-3p+pcDNA			miR-363-3p+PCAT1		
OPM2	0.99	1.16	0.85	0.43	0.41	0.46	0.32	0.39	0.36	0.75	0.85	0.81

U266B1 1.1 0.95 0.95 0.48 0.43 0.46 0.39 0.42 0.46 0.86 0.92 0.76

Fig.7A

	sh-NC					sh-PCAT1				
D7	72	65	56	48	35	42	36	35	30	29
D14	153	132	129	120	103	85	72	69	62	51
D21	354	312	296	305	234	152	142	116	102	86
D28	655	602	568	513	436	279	236	210	185	152
D35	895	821	756	703	659	402	362	351	302	276

Fig.7B

	sh-NC					sh-PCAT1				
	852	756	702	658	603	365	325	312	276	243

Fig.7C

	sh-NC			sh-PCAT1		
PCAT1	0.96	1.05	0.99	0.35	0.39	0.48
miR-363-3p	1.09	1.06	0.85	1.56	1.95	1.88
MTDH	1.09	0.98	0.83	0.51	0.53	0.42

Fig.7D

	sh-NC			sh-PCAT1		
	1.1	1.05	0.85	0.56	0.62	0.51

Fig. 1B

Normal	MM
0.95	1.86
0.92	1.59
0.77	1.54
0.88	1.23
0.84	1.35
0.86	1.45
0.69	1.52
0.95	1.56
0.99	1.67
1.06	1.78
1.03	1.85
1.25	1.69
1.36	2.74
1.56	2.59
1.46	3.06
1.58	2.98
1.78	2.84
1.95	2.76
2.03	2.65
1.44	2.26
1.06	2.15
1.21	2.65

4.06
3.69
3.25
2.77
2.71
2.73
2.65
2.65
4.58
4.35
5.26
5.06
4.58
4.35

Fig. 1C

PCAT1	MTDH
1.06	1.86
0.99	1.59
0.87	1.54
0.86	1.23
0.99	1.35
0.94	1.45
1.02	1.52
1.03	1.56
1.12	1.67
1.23	1.78
1.24	1.85
1.16	1.69
1.35	2.74
1.46	2.59
1.48	3.06
1.85	2.98
1.95	2.84
1.69	2.76
1.77	2.65
1.79	2.26
1.99	2.15

2.15	2.65
2.06	4.06
2.35	3.69
2.34	3.25
2.45	2.77
2.89	2.71
3.06	2.73
3.08	2.65
2.48	2.65
2.16	4.58
1.85	4.35
3.22	5.26
1.97	5.06
2.28	4.58
2.65	4.35

Fig.1D

Months elapsed	PCAT1	
	Low expression	High expression
60	0	
60	0	
60	0	
60	0	
42	1	
60	0	
20	1	
16	1	
60	0	
60	0	
32	1	
60	0	
12	1	
60	0	
8	1	
60		0
60		0
60	0	

22	1	
24	1	
60		0
60		0
6		1
6		1
6		1
8		1
14		1
20		1
24		1
25		1
26		1
33		1
36		1
12		1
12		1
12		1

Fig.1E

Months elapsed	MTDH	
	Low expression	High expression
60	0	
60	0	
60	0	
60	0	
42	1	
60	0	
20	1	
16	1	
60	0	
60	0	
32	1	
60	0	
12		1
60	0	
8		1
60		0
60		0
60		0
22		1
24	1	
60	0	
60		0
6		1
6		1
6		1
8		1
14		1
20		1
24		1
25		1
26		1
33		1
36		1
12		1
12		1
12		1