

Table 1S Bacterial community comparisons at the genus level among the control (CK), paracetamol induction (Model), nonsaponification Asta pre-treated (N-Asta) and saponification Asta pre-treated (S-Asta) groups.

<i>Taxon</i>	CK	Model	N-Asta	S-Asta
<i>Intestinibacter</i>	13.79±7.30 ^a	33.08±5.59 ^b	11.21±5.20 ^a	11.25±5.31 ^a
<i>Allobaculum</i>	12.89±11.11 ^b	1.53±1.33 ^a	20.1±4.13 ^c	0.43±0.74 ^a
<i>Lactobacillus</i>	4.22±2.13 ^{ab}	15.39±3.30 ^c	7.12±2.22 ^b	1.52±2.61 ^a
<i>Bifidobacterium</i>	10.16±1.14 ^d	8.54±1.29 ^c	5.66±1.79 ^b	1.91±0.92 ^a
<i>Bacteroidales_S24-7_group_norank</i>	5.93±3.53 ^{ab}	1.72±0.77 ^a	3.65±2.36 ^a	12.8±7.49 ^c
<i>Ruminococcaceae_UCG-014</i>	5.83±1.40 ^a	5.57±3.38 ^a	3.56±0.46 ^a	3.37±2.05 ^a
<i>Akkermansia</i>	3.61±3.56 ^b	2.15±0.79 ^b	0.31±0.15 ^a	12.16±1.64 ^c
<i>Lachnospiraceae_unclassified</i>	5.47±4.42 ^a	1.18±0.62 ^a	3.24±1.13 ^a	4.48±1.76 ^a
<i>Ruminococcaceae_unclassified</i>	1.17±1.16 ^{ab}	0.49±0.30 ^a	3.17±1.78 ^b	7.01±2.63 ^c
<i>Lachnospiraceae_NK4A136_group</i>	5.13±2.71 ^b	0.67±0.16 ^a	2.76±1.14 ^b	2.40±0.45 ^b
<i>Enterorhabdus</i>	2.36±1.15 ^a	5.15±1.74 ^b	1.41±0.22 ^a	1.27±0.88 ^a
<i>Prevotellaceae_Ga6A1_group</i>	0.64±0.66 ^a	0.04±0.05 ^a	3.32±2.48 ^b	5.84±2.26 ^b
<i>Erysipelotrichaceae_uncultured</i>	2.79±2.56 ^a	1.94±1.77 ^a	2.70±0.69 ^a	1.76±1.04 ^a
<i>Coriobacteriaceae_UCG-002</i>	4.16±0.71 ^b	0.05±0.02 ^a	3.47±1.20 ^b	0.18±0.08 ^a
<i>Romboutsia</i>	1.99±1.19 ^a	2.02±1.19 ^a	1.62±0.68 ^a	1.80±0.84 ^a
<i>[Eubacterium]_xylanophilum_group</i>	0.63±0.68 ^a	0.86±0.43 ^a	1.79±0.81 ^{ab}	3.24±1.62 ^b
<i>Faecalibaculum</i>	2.00±2.12 ^b	0.95±0.66 ^a	2.82±2.30 ^b	0.50±0.55 ^a
<i>Clostridium_sensu_stricto_1</i>	1.61±0.66 ^a	2.23±0.61 ^a	1.10±0.43 ^a	1.20±0.50 ^a
<i>Ruminococcaceae_UCG-013</i>	1.00±0.20 ^a	4.06±2.93 ^b	0.35±0.09 ^a	0.58±0.32 ^a
<i>Desulfovibrio</i>	0.61±0.96 ^a	2.50±0.69 ^b	1.38±1.18 ^{ab}	0.84±1.41 ^a
<i>Ruminococcaceae_uncultured</i>	0.14±0.13 ^a	0.07±0.01 ^a	0.67±0.56 ^a	3.52±1.12 ^b
<i>Lachnospiraceae_uncultured</i>	0.94±0.59 ^a	0.99±0.45 ^a	0.71±0.15 ^a	1.40±0.51 ^a
<i>Adlercreutzia</i>	1.90±1.33 ^a	0.33±0.11 ^a	0.56±0.10 ^a	0.67±0.58 ^a
<i>Parasutterella</i>	0.01±0.02 ^a	0.00±0.0 ^a	3.34±2.96 ^a	0.09±0.16 ^a
<i>Lachnoclostridium</i>	1.16±0.57 ^b	0.31±0.13 ^a	0.91±0.41 ^{ab}	0.68±0.21 ^{ab}
<i>Ruminococcaceae_NK4A214_group</i>	0.59±0.51 ^{ab}	0.14±0.08 ^a	1.03±0.45 ^b	1.17±0.37 ^b
<i>Intestinimonas</i>	0.27±0.25 ^a	0.02±0.01 ^a	1.24±0.53 ^b	0.96±0.37 ^b
<i>Roseburia</i>	0.69±0.51 ^{bc}	0.07±0.02 ^a	0.38±0.07 ^{ab}	1.31±0.40 ^c
<i>Firmicutes_unclassified</i>	0.57±0.16 ^a	0.58±0.48 ^a	0.66±0.15 ^a	0.53±0.13 ^a
<i>[Eubacterium]_coprostanoligenes_group</i>	0.24±0.02 ^a	0.45±0.22 ^a	0.73±0.12 ^a	0.82±0.40 ^a
<i>Candidatus_Saccharimonas</i>	0.85±0.28 ^a	0.70±0.09 ^a	0.15±0.08 ^a	0.27±0.14 ^a
<i>Ruminiclostridium_9</i>	0.09±0.07 ^a	0.06±0.01 ^a	0.40±0.36 ^b	1.33±0.55 ^c
<i>Erysipelotrichaceae_unclassified</i>	0.84±0.58 ^b	0.02±0.01 ^a	0.97±0.05 ^b	0.05±0.07 ^a
<i>Ruminococcus_1</i>	0.18±0.08 ^a	0.10±0.04 ^a	0.26±0.09 ^a	1.17±0.37 ^b
<i>Quinella</i>	0.05±0.05 ^a	0.17±0.15 ^a	1.22±0.85 ^b	0.27±0.46 ^a
<i>Streptococcus</i>	0.17±0.30 ^a	1.22±0.66 ^b	0.08±0.08 ^a	0.10±0.10 ^a
<i>Alloprevotella</i>	0.12±0.16 ^a	0.00±0.00 ^a	0.09±0.10 ^a	0.88±1.51 ^a
<i>Peptostreptococcaceae_unclassified</i>	0.41±0.52 ^a	0.02±0.02 ^a	0.18±0.09 ^a	0.16±0.08 ^a
<i>Others</i>	4.79±0.81 ^a	4.63±0.09 ^a	5.71±0.71 ^a	10.1±1.42 ^b

Note: Different letters of the same row in the four groups suggest $p < 0.05$.