

Foward primer	Sequence	Reverse primer	Sequence	Fragment length
IL6_F	CCTTCGGTCCAGTTGCCTTCT	IL6_R	GGCGGCTACATCTTTGGAATC	101
IL12A_F	GGAGGCCTGTTTACCATTGGA	IL12A_R	AGGCACAGGGCCATCATAAA	126
TNFa_F	CTCTTCTGCCTGCTGCACTTTG	TNFa_R	ATGGGCTACAGGCTTGTCCTC	135
TGFb2_F	AAGAAGCGTGCTTTGGATGCGG	TGFb2_R	ATGCTCCAGCACAGAAGTTGGC	151
GAPDH_F	TCGGAGTCAACGGATTTGGT	GAPDH_R	GCCATGGGTGGAATCATATTGG	146